

GRANDS CHALLENGES

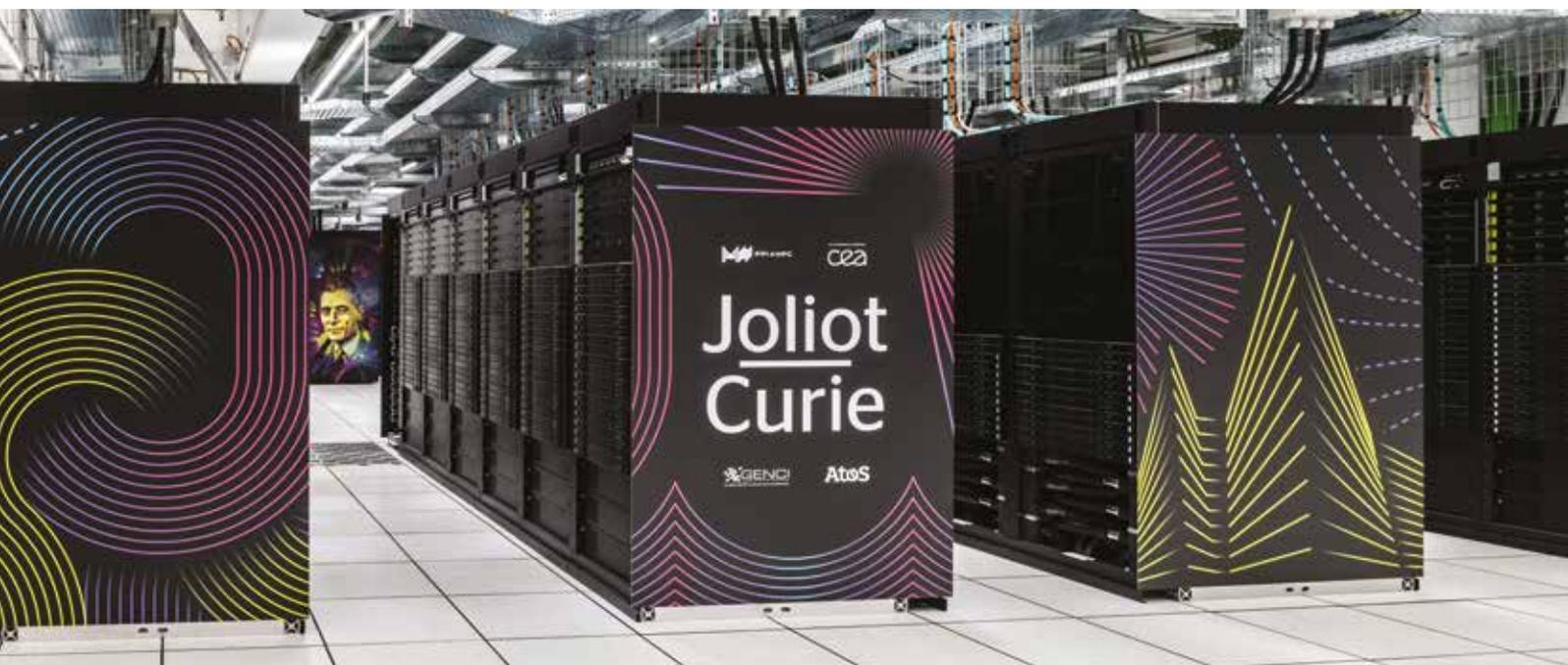
JOLIOT-CURIE



Partition AMD ROME

Édition janvier 2022





GRANDS JOLIOT-CURIE CHALLENGES

Partition AMD ROME

Édition janvier 2022



© P. Stroppa





Christine Ménaché,
Responsable du TGCC



Philippe Lavocat,
PDG de GENCI

Édito

L'accroissement exponentiel des données dans l'ensemble des activités de recherche académique et industrielle renforce la position du numérique en tant que moteur de l'excellence scientifique et de l'innovation. Les chercheurs doivent satisfaire des besoins de calcul croissants, tout en répondant à des exigences toujours plus élevées de précision, de rapidité, de sécurité et de réalisme dans leur pratique de la simulation numérique. Leur offrir les moyens d'associer le traitement rapide et l'analyse des données à la simulation numérique a décuplé le champ des possibles et a permis d'accélérer la réalisation de leurs projets. C'est un enjeu de compétitivité scientifique et économique majeur, au cœur des missions de GENCI et des équipes du Très Grand Centre de Calcul (TGCC) du CEA.

Sur la voie de l'*Exascale*, l'acquisition et la mise à disposition des chercheurs de la partition AMD ROME du supercalculateur Joliot-Curie ont marqué une nouvelle étape de l'engagement de la France pour un « numérique de puissance », sur les plans national et européen. L'engagement des femmes et des hommes qui forment la communauté du calcul haute performance constitue un facteur majeur pour la réussite de cette ambition. Les résultats de ces Grands Challenges le démontrent une nouvelle fois.

Le choix du « numérique de puissance » pour la France

Fondée sur la nouvelle gamme de produits ATOS XH2000, la partition AMD ROME de Joliot-Curie dispose de 2 292 nœuds de calcul, chaque nœud étant composé de 2 processeurs AMD Epyc 7H12 (ROME) 64 cœurs à 2,6 GHz et 256 Go de mémoire DDR4. Ces nœuds de calcul sont fédérés par un réseau d'interconnexion rapide Mellanox Infiniband HDR 100 Gb/s selon une topologie Dragonfly+. Cette partition de presque 300 000 cœurs de calcul (la plus importante de tout le parc de machines GENCI à ce jour) est complétée par une partition de pré/post traitement de 32 nœuds hybrides (2 processeurs Intel CascadeLake 20 cœurs couplés à 4 accélérateurs de calcul nVIDIA V100 16 GB), une unité de stockage rapide NVMe allouable à la volée (appelée SBF pour *Smart Bunch of Flash*) et une dernière partition de calcul arrivée mi-2021 et composée de 80 nœuds de calcul Fujitsu PRIMEHPC FX700 (chaque nœud disposant d'un processeur ARM Fujitsu A64FX 48 cœurs 1,8 GHz et 32 Go de mémoire rapide HBM2).

Cette évolution de la machine Joliot-Curie au TGCC présente un très grand nombre d'innovations comme la disponibilité de nœuds de calcul *manycore* très denses (128 cœurs AMD ROME par nœud) grâce à la technologie de refroidissement liquide direct (DLC), le routage adaptatif des messages dans le réseau d'interconnexion, des technologies de refroidissement et des outils de monitoring de la consommation énergétique et enfin la mise à disposition d'une partition de calcul fondée sur un processeur ARM avec de la mémoire rapide et un jeu d'instructions vectorielles étendu. Ces technologies d'Atos ont été développées dans le cadre d'un programme de co-conception entre l'industriel et le CEA/DAM pour répondre aux besoins de sa mission défense et, plus largement, de l'ensemble des communautés utilisatrices du HPC.

Un engagement européen

La mise à disposition de ce nouvel instrument de recherche marque également un engagement français pour un « numérique de puissance » européen.

En effet, cette acquisition a été engagée dans le cadre du projet européen PPI4HPC (*Public Procurement of Innovative solutions for High Performance Computing*, H2020-754271). Utilisé pour la première fois à cette occasion dans le champ du calcul haute performance, ce dispositif a permis d'aider à acquérir des solutions de calcul et de stockage innovantes, grâce à un projet d'achat commun coordonné par GENCI, pour les principaux centres de calcul haute performance



CEA/GENCI, CINECA (Italie), JUELICH (Allemagne) et BSC (Espagne). La Commission Européenne a ainsi participé de manière significative au financement de cette acquisition.

Tous les éléments d'innovation proposés par cette acquisition sont essentiels pour valider avec l'aide des communautés utilisatrices certains des composants qui pourront équiper la machine *Exascale* de la *Joint Undertaking EuroHPC*. Dans ce cadre, la candidature de la France, portée par GENCI avec le CEA, vise à installer au TGCC un calculateur exaflopique à l'horizon 2024.

Il est, dans ce contexte, d'autant plus important de maîtriser l'environnement logiciel de base qui constitue le cœur d'un centre de calcul à haute performance et de proposer de nouveaux services adaptés à l'évolution de plus en plus rapide des besoins. Les équipes du TGCC s'y emploient en permanence. En particulier, le CEA a développé une pile logicielle complète pour la gestion des clusters de calcul et de stockage, nommée « OCEAN ». Elle a été déployée au TGCC pour piloter cette nouvelle partition.

Des femmes et des hommes au service de la science : les Grands Challenges

L'installation et la mise en service de la partition ont été réalisées par les équipes du CEA, dans un cadre de maîtrise d'ouvrage déléguée par GENCI, et par celles d'Atos. La définition de son architecture informatique, son exploitation ainsi que le support aux utilisateurs ont été confiés aux équipes du centre CEA/DAM Île-de-France à Bruyères-le-Châtel.

À l'instar du processus de Grands Challenges enclenché lors de la mise en service d'une nouvelle machine, une période particulière de trois mois et demi a été dédiée au démarrage et à la mise au point de la partition ROME, alors proposée et réservée à quelques utilisateurs. Ces derniers ont accepté en contrepartie des conditions d'utilisation d'une machine en période de « rodage ».

Dynamique moléculaire, interface des gouttelettes d'eau, organisation des nuages tropicaux, combustion des moteurs de fusée, utilisation de l'intelligence artificielle pour le design des moteurs aéronautiques, évolution des structures cosmiques : ce ne sont que quelques exemples évoquant la diversité des domaines de recherche parmi les 27 projets qui ont été retenus après avoir été sélectionnés dans le cadre des Comités Scientifiques.

Si des simulations inédites ont pu être produites, ce nouvel équipement contribue également à répondre aux enjeux de société les plus prégnants au premier rang desquels figure la santé et plus particulièrement la lutte contre la pandémie de COVID-19. En effet, dans le cadre de l'appel Fast Track COVID-19 de PRACE¹ et des appels nationaux COVID-19 de GENCI, 18 projets ont utilisé les ressources de calcul de Joliot-Curie.

Ainsi ont été réalisées des simulations numériques qui poussent aux limites non seulement les capacités de la machine mais aussi les logiciels de simulation eux-mêmes et l'environnement informatique pour en exploiter les résultats. Elles sont essentielles pour franchir les changements d'échelle, aussi bien applicatifs que scientifiques, rendus possibles par les avancées technologiques dans le domaine du HPC.

Ces avancées ne sont possibles que grâce à l'implication de l'ensemble des équipes : du centre de calcul, des scientifiques, de GENCI et plus généralement de l'ensemble des personnes qui œuvrent à mettre l'excellence technologique au service du rayonnement scientifique de la France et de l'Europe.

Les défis à relever dans les années à venir sont nombreux : s'engager dans le projet européen de simulation quantique HPCQS, soutenir l'Europe dans la révolution de l'*Exascale* en se portant candidat pour héberger et opérer au TGCC en 2024 l'une des deux machines de classe *Exascale* pour le compte de l'entreprise européenne EuroHPC.

¹PRACE (Partnership for advanced computing in Europe) est une infrastructure de recherche européenne mettant à disposition des heures de calcul au profit des chercheurs académiques et industriels européens.



JOLIOT-CURIE

et la partition AMD ROME

Le supercalculateur Joliot-Curie

Il a été installé fin 2017 au sein du Très Grand Centre de Calcul (TGCC) du CEA, situé à Bruyères-le-Châtel (Essonne), à l'issue d'une procédure d'achat menée par une équipe intégrée GENCI-CEA. La mise en œuvre de Joliot-Curie au sein du TGCC, ainsi que son exploitation, ont été confiées aux équipes opérationnelles de la Direction des Applications Militaires (DAM) du CEA. Il bénéficie ainsi d'un environnement scientifique et technique de pointe.



La partition AMD ROME

Dans une seconde phase, la partition AMD ROME de Joliot-Curie a été acquise et installée en 2019 dans le cadre du projet européen PPI4HPC⁽¹⁾. Cette nouvelle partition a été mise en service début 2020 et est composée de 5 îlots Bull Sequana XH2000.



Elle présente les caractéristiques suivantes :

- 2 292 nœuds de calcul avec, pour chacun, 2 processeurs AMD ROME (Epyc) 64 coeurs à 2,6 GHz, 256 Go de mémoire DDR4, pour un total de 293 376 coeurs de calcul et une puissance crête de 11,75 PFlop/s,
- Réseau d'interconnexion Infiniband HDR100 via une topologie DragonFly+

Une autre partition a également été installée lors de cette seconde phase, Joliot-Curie V100 pour le traitement de données/IA avec :

- 32 nœuds hybrides avec, pour chacun, 2 processeurs Intel CascadeLake 20 coeurs à 2,1 GHz couplés à 4 GPU NVIDIA V100, soit un total de 128 GPU pour une puissance crête de 1,13 PFlop/s.

⁽¹⁾ Le projet PPI4HPC a été financé par le programme de recherche et d'innovation Horizon 2020 de l'Union européenne dans le cadre de la convention de subvention n° 754271.



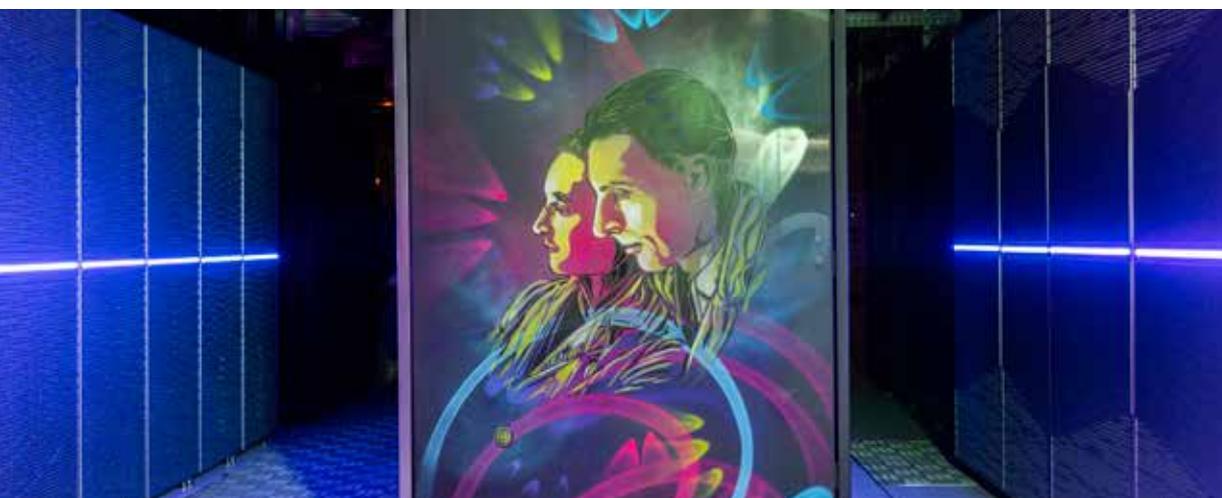
Pour rappel, la première phase du supercalculateur est composée d'îlots Bull Sequana X1000 avec une puissance crête de ~9 PFlop/s et dispose des partitions de calcul suivantes :

SKL Irene (Skylake) :

- 1 656 nœuds de calcul avec, pour chacun, 2 processeurs Intel Skylake 24 cœurs à 2,7 GHz, 192 Go de mémoire, pour un total de 79 488 cœurs et une puissance crête de 6,9 PFlop/s.

KNL Irene (Knights Landing)

- 828 nœuds avec pour chacun un processeur Intel Knights Landing (KNL) 64 cœurs à 1,4 GHz, pour un total de 52 992 cœurs et une puissance crête de 2,0 PFlop/s.



© P. Stroppa

Dans le cadre du projet européen Fenix, les partitions suivantes sont également accessibles :

- Irene V100L : 30 nœuds avec 2 processeurs Intel CascadeLake 18 cœurs 2,6 GHz et 1 GPU NVIDIA V100
- Irene V100XL : 2 nœuds hybrides avec pour chacun 4 processeurs Intel CascadeLake 18 cœurs 2,6 GHz, 3 To de mémoire et 1 GPU NVIDIA V100.

Autres ressources communes :

- Irene hybrid : 20 nœuds de visualisation disposant d'accélérateurs NVIDIA P100,
- Irene xlarge : 5 nœuds dits « grosse mémoire » pour le pré/post traitement disposant de 3 To de mémoire/nœud et d'un accélérateur NVIDIA P100,
- Un stockage local et rapide de type « Scratch », de 5 Po utiles avec une bande passante de 300 Go/s accessible via un système de fichiers de type Lustre.

Partition exploratoire - ARM :

- Fondée sur la technologie Fujitsu PRIMEHPC FX700 : 80 nœuds DDR-less mono-socket avec un processeur Fujitsu A64FX (<https://www.genci.fr/fr/node/1076>) 48 cœurs 1,8 GHz, 32 Go de mémoire rapide HBM2 pour une puissance crête de 0,245 PFlop/s.



Sommaire

CT 1	Impacts des processus de fine-échelle sur la circulation océanique Atlantique	page 10
	L'organisation des nuages tropicaux face au réchauffement climatique	page 11
CT 2a	Simulations avancées du changement d'échelle pour les procédés continus de synthèse des matériaux	page 12
	Simulation numérique directe d'un écoulement de gaz dense dans un canal périodique	page 13
	Le calcul intensif de haute fidélité en mécanique des fluides : un outil d'aide à la décision contre la propagation du virus SARS-CoV-2	page 14
	Simulation massivement parallèle d'écoulements gaz/particules dans un réacteur à lit fluidisé industriel avec une approche n-fluid Euler	page 15
CT 2b	Haute-fidélité et Intelligence Artificielle pour le design des moteurs aéronautiques de demain	page 16
	Influence de la résolution en maillage sur la prédiction de l'écoulement et de l'ambiance dynamique dans un moteur de fusée	page 17
	Simulations numériques directes pour améliorer la compréhension de la turbulence induite par les bulles	page 18
CT 3	Impact à haute vitesse d'une goutte d'eau	page 19
	Effets de température, de taille et de composition sur le comportement de sels NaX dans des gouttelettes d'eau de la taille d'aérosols marins	page 20
	Cardio100G	page 21
	Calcul des doses en radiothérapie avec la simulation Monte-Carlo	page 22

CT 4

Simulation numérique de la géodynamo à très haute résolution et dans des conditions quasi-terrestres

page 23

Comprendre l'Univers « noir » et la formation de galaxies primordiales Grand Challenge Extreme-Horizon

page 24

CT 5

Réduction du fossé entre les simulations numériques et l'expérimentation sur le graphène en suspension libre (*free standing*)

page 25

Les limites du continu et de *leading twist* des fonctions de distribution de partons dans la Chromodynamique quantique (QCD) sur réseau

page 26

CT 7

Prédire la dynamique d'interaction des Récepteurs Couplés aux Protéines-G avec leurs partenaires intra-cellulaires

page 27

La mort cellulaire et la catastrophe structurale de son protéome

page 28

CT 8

Modélisation prédictive de la structure électronique de complexes d'actinides (PRECISE)

page 29

Calculs de référence pour la photochimie

page 30

Structure et diffusion du proton hydraté

page 31

Structure des gels lamellaires d'alcools gras

page 32

Impact d'une particule sur une surface solide

page 33

CT 9

Un calcul GW tout électron sur 1 millier d'atomes !

page 34

Diagramme de phase quantique de l'hydrogène à haute pression

page 36

Etude des facteurs favorisant l'interaction SARS-CoV-2/inhibiteurs

page 37

Jonathan Gula ^[1]
Sébastien Theetten ^[2]
Gildas Cambon ^[3]
Guillaume Roulet ^[1]

[1] LOPS/UBO, [2] LOPS/Ifremer, [3] LOPS/IRD

Impacts des processus de fine-échelle sur la circulation océanique Atlantique

Les processus océaniques de fine échelle correspondent typiquement à des échelles spatiales horizontales de l'ordre de 1 – 10 km, et des échelles temporelles de quelques jours à quelques heures. Ces processus incluent les ondes internes et différents processus de sous-mésoéchelle qui sont visibles sous forme de fronts et de tourbillons. Ces fines échelles sont présentes dans les couches de surface de l'océan, où elles jouent un rôle majeur pour moduler les échanges entre l'océan et l'atmosphère et pour contrôler les flux verticaux de traceurs et d'énergie, mais aussi dans les couches de fond, où elles impactent la dissipation d'énergie et le mélange océanique.

Malheureusement, ces processus ne sont pas résolus pour les modèles océaniques et leur absence conduit à de nombreux biais dans les modélisations de l'océan et du climat.

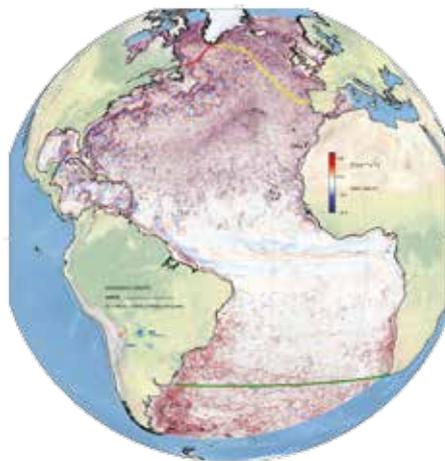


Figure : vorticité relative de surface (rouge = cyclones, bleu = anticyclones) pour une simulation de l'Atlantique avec une résolution horizontale de 1 km.

L'objectif de ce Grand Challenge était de quantifier les impacts des processus de fine échelle sur la circulation grande échelle de l'océan Atlantique en les résolvant explicitement grâce à un ensemble de nouvelles simulations numériques de l'océan Atlantique avec le modèle océanique CROCO.

Des simulations réalistes, incluant la marée et les forçages atmosphériques horaires, ont été réalisées pour la première fois avec une résolution horizontale infé-

rieure au kilomètre sur une grille couvrant tout l'océan Atlantique (Fig.) comportant 10500 x 14000 x 100 points de grille sur une période de plusieurs années. Des informations plus détaillées sont disponibles sur <https://doi.org/10.5281/zenodo.4948523>

Les données ainsi générées vont permettre d'étudier les interactions entre les différentes échelles spatiales et temporelles de la dynamique et de quantifier les impacts de chacun des processus sur le mélange et la structure de la circulation océanique de grande échelle. Ces impacts pourront ensuite être paramétrisés pour les modèles de climat en utilisant notamment des méthodes d'apprentissage automatique.

L'exploitation de ces données ne fait que commencer et devrait se poursuivre pendant plusieurs années. Des études déjà publiées portent sur :

- l'impact des tempêtes sur l'augmentation du mélange profond le long des pentes topographiques par piégeage des ondes proches-inertielles (Qu et al, Geophys. Res. Lett., 2021)
- la prise en compte de la structure verticale de la couche de mélange profonde sur l'estimation de l'énergie dissipée par frottement (Ruan et al, Geophys. Res. Lett., 2021)
- l'extraction d'énergie des tourbillons de méso-échelle par les ondes internes (Barkan et al, Geophys. Res. Lett., 2021).
- l'impact des monts sous-marins sur la remontée des eaux profondes dans les océans. (Mashayek et al, <https://doi.org/10.21203/rs.3.rs-939198/v1>).

Les données sont aussi actuellement utilisées dans le cadre de plusieurs autres projets, comme par exemple JPI-Oceans eurec4a-0a, ANR DEEPER, NASA/CNES SWOT. Elles vont être utiles pour de nombreuses autres applications dans le cadre de collaborations : dispersion des micro-plastiques, pompe physique de Carbone, etc.



Jean-Pierre Chaboureau
 Juan Escobar
 Philippe Wautelet

Laboratoire d'Aérodynamique
 (Université de Toulouse et CNRS)

L'organisation des nuages tropicaux face au réchauffement climatique

Comprendre comment les propriétés des nuages tropicaux varient avec le réchauffement est une question ouverte du changement climatique. En équilibre radiatif-convectif (RCE), les modèles montrent que la convection s'agrège en amas nuageux, rendant l'atmosphère plus sèche avec moins de nuages. Ils divergent cependant dans la réponse de l'agrégation avec le réchauffement. Notre compréhension de cette réponse est en partie limitée par la capacité à résoudre explicitement à la fois la convection dans son ensemble et les détails de ses composantes. La giga-LES (giga pour milliard et LES pour large-eddy simulation ou simulation des grands tourbillons) est un outil révolutionnaire car elle résout un large éventail d'échelles, des courants d'air de grand échelle aux tourbillons les plus énergétiques. Un jeu de trois giga-LES de l'atmosphère tropicale a été réalisé selon le protocole de l'exercice RCEMIP (Wing et al. 2018) avec le code communautaire Méso-NH (<http://mesonh.aero.obs-mip.fr/>) développé conjointement par le CNRS, Météo-France et l'université Paul Sabatier. Porté sur l'ensemble des supercalculateurs de GENCI, le code Méso-NH a montré une scalabilité jusqu'à 2 000 000 cœurs virtuels (threads, Lac et al. 2018). Le temps de communication pour les entrées sorties a été amélioré par l'emploi de la librairie Global Array.

La configuration choisie est une grille de 333 millions de points avec un maillage horizontal

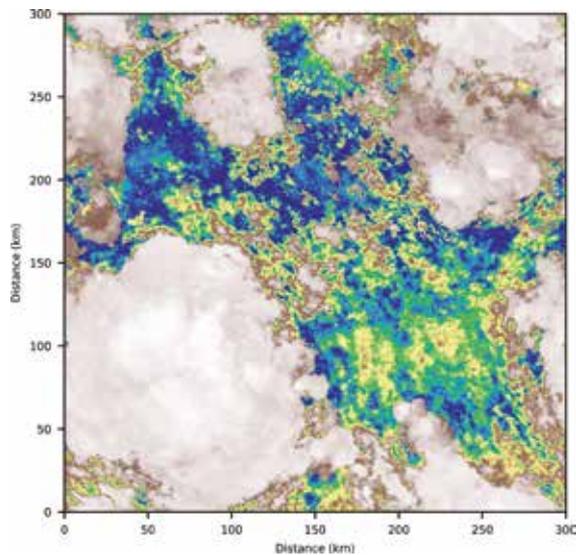


Figure : vue en infrarouge thermique de la GigaLES-RCE par Méso-NH

de 200 m. **Un total de 110 jours de simulation a été réalisé avec 9216 cœurs, en consommant 20 millions d'heures de calcul et générant 300 To de données.**

La figure montre une agrégation modérée de la convection en climat actuel (300 K). Cette agrégation est peu sensible à la température de la surface de la mer. Bien que ce résultat nécessite d'être confirmé avec des simulations à réaliser sur des domaines au moins quatre fois plus grands, il suggère une absence de changement de l'organisation des nuages avec le réchauffement.

Références

Lac, C., J.-P. Chaboureau, V. Masson, J.-P. Pinty, P. Tulet, J. Escobar, M. Leriche, C. Barthe, B. Aouizerats, C. Augros, P. Aumond, F. Auguste, P. Bechtold, S. Berthet, S. Bieilli, F. Bosseur, O. Caumont, J.-M. Cohard, J. Colin, F. Couvreux, J. Cuxart, G. Delautier, T. Dauhut, V. Ducrocq, J.-B. Filippi, D. Gazen, O. Geoffroy, F. Gheusi, R. Honnert, J.-P. Lafore, C. Lebeaupin Brossier, Q. Libois, T. Lunet, C. Mari, T. Maric, P. Mascart, M. Mogé, G. Molinié, O. Nuissier, F. Pantillon, P. Peyrillé, J. Pergaud, E. Perraud, J. Pianezze, J.-L. Redelsperger, D. Ricard, E. Richard, S. Riette, Q. Rodier, R. Schoetter, L. Seyfried, J. Stein, K. Suhre, O. Thouron, S. Turner, A. Verrelle, B. Vié, F. Visentin, V. Vionnet, and P. Wautelet, Overview of the Meso-NH model version 5.4 and its applications, *Geosci. Model Dev.*, 11, 1929–1969, 2018. <https://doi.org/10.5194/gmd-11-1929-2018>

Wing, A. A., C. L. Stauffer, T. Becker, K. A. Reed, M.-S. Ahn, N. P. Arnold, S. Bony, M. Branson, G. H. Bryan, J.-P. Chaboureau, S. R. de Roode, K. Gayatri, C. Hohenegger, I.-K. Hu, F. Jansson, T. R. Jones, M. Khairoutdinov, D. Kim, Z. K. Martin, S. Matsugishi, B. Medeiros, H. Miura, Y. Moon, S. K. Müller, T. Ohno, M. Popp, T. Prabhakaran, D. Randall, R. Rios-Berrios, N. Rochetin, R. Roehrig, D. M. Romps, J. H. Ruppert Jr., M. Satoh, L. G. Silvers, M. S. Singh, B. Stevens, L. Tomassini, C. C. van Heerwaarden, S. Wang, and M. Zhao, Clouds and convective self-aggregation in a multi-model ensemble of radiative-convective equilibrium simulations, *J. Adv. Model Earth Syst.*, 12, e2020MS002138, 2020. <https://doi.org/10.1029/2020MS002138>



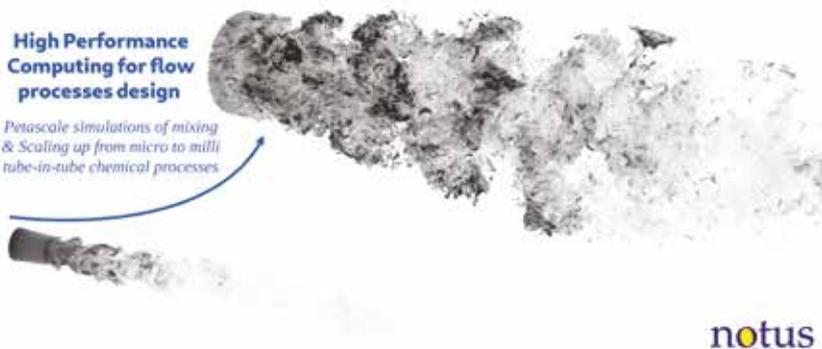
S. Glockner
A.M.D. Jost
A. Erriguible,

Institut de Mécanique et d'Ingénierie de Bordeaux

Simulations avancées du changement d'échelle pour les procédés continus de synthèse des matériaux

Nous avons proposé dans ce challenge l'utilisation d'un supercalculateur pétaflopique pour aborder le problème ouvert du changement d'échelle pour les procédés continus de synthèse des matériaux. Parmi les approches conventionnelles de la précipitation de nanoparticules, les procédés microfluidiques de CO₂ (anti-solvant) en conditions turbulente et supercritique ont prouvé leur efficacité pour contrôler le mélange et améliorer les performances du réacteur. Toutefois, il convient de noter que les débits massiques utilisés dans les microréacteurs sont beaucoup plus faibles que ceux utilisés pour de plus grands réacteurs discontinus. Par conséquent, même si les premiers offrent d'excellentes performances de mélange, les seconds ont le gros avantage d'avoir des taux de production plus élevés. La question qui a donc justifié ce challenge est de savoir si un réacteur continu peut fonctionner avec les mêmes débits qu'un réacteur discontinu tout en conservant d'excellentes performances de mélange.

Figure : *synoptique de l'étude de changement d'échelle micro-milli d'un réacteur continu. Rendus volumiques des champs de concentration instantanée dans les micro/milli réacteurs.*



La stratégie de changement d'échelle est basée sur la conservation du taux de dissipation turbulente dans le réacteur, combinée à des simulations avancées aux différentes échelles et à une analyse approfondie des effets de l'augmentation des dimensions sur les performances de mélange. **Des simulations numériques directes de 55 millions à 11 milliards de points (jusqu'à 131 072 processeurs) captant**

les échelles de Kolmogorov et de Batchelor ont été réalisées dans des micro/milli-réacteurs tout en maintenant la même précision de la description des phénomènes physiques. Elles conduisent à une estimation qualitative fiable de la performance du mélange pour les différents scénarios de dimensionnement. Le code open-source Notus (<https://notus-cfd.org>) a été utilisé en mettant en œuvre une stratégie d'explicitation des schémas numériques. Cette approche tire parti des caractéristiques physiques favorables du fluide qui ne réduisent pas de manière significative la condition de Courant-Friedrichs-Lewy et maintiennent ainsi un nombre total d'itérations temporelles raisonnable. Le seul système linéaire à résoudre est celui associé à la pression pour lequel la bibliothèque de solveurs parallèles Hypre est utilisée. Afin de surmonter la saturation des échanges de messages MPI pour un grand nombre de processeurs, un changement de paradigme de la programmation parallèle mise en œuvre dans Notus a été réalisé (passage à une approche hybride OpenMP/MPI). Une analyse des performances a montré qu'un nombre de cellules par cœur de 403 permet d'obtenir une très bonne scalabilité faible jusqu'à 131 072 cœurs (8 threads OpenMP par processus MPI).

Les simulations ont montré qu'il est possible d'augmenter le volume du réacteur continu - de l'échelle de laboratoire/académique à l'échelle de production/industrielle - tout en maintenant une excellente qualité de mélange, ce qui est très favorable au processus de synthèse des matériaux. Des taux de production jusqu'à deux ordres de grandeur plus élevés ont été vérifiés. Ces travaux ont montré que le calcul haute performance est un outil émergent et efficace pour l'analyse de différents scénarios de mise à l'échelle ou de conception de réacteurs dans le domaine du génie chimique.

A. Giauque,
Christophe Corre,
Paolo Errante

Ecole Centrale de Lyon / Laboratoire de Mécanique des Fluides et d'Acoustique (UMR 5509)

Simulation numérique directe d'un écoulement de gaz dense dans un canal périodique

L'objectif du Grand Challenge EDGES est d'étudier le comportement de la turbulence en canal dans un écoulement supersonique de gaz dense proche du point critique.

Deux simulations numériques directes ont été réalisées grâce au code de calcul fluide AVBP. La première pour un nombre de Mach égal à 3, et la seconde pour un nombre de Mach hypersonique égal à 6.

Ces résultats nous ont permis de mettre en évidence la présence, dans ce contexte, de nouveaux termes de sous-maille à modéliser pour réaliser des simulations aux grandes échelles de ces écoulements.

Ces résultats font désormais partie d'une plus large base de données comprenant d'autres types d'écoulements de gaz denses (THI, couche de mélange).

Plus de 30 milliards d'échantillons sont présents dans cette base de données, qui est actuellement utilisée pour construire à l'aide de l'intelligence artificielle (réseaux de neurones) de nouveaux modèles de turbulence pour ces fluides complexes, à l'attention de la simulation aux grandes échelles. Les résultats obtenus grâce à ce Grand Challenge ont été valorisés dans un article *Physics of Fluids* (vol. 33(8), 2021) consacré à l'analyse *a priori* des termes sous-maille dans les écoulements compressibles transcritiques de gaz réel.

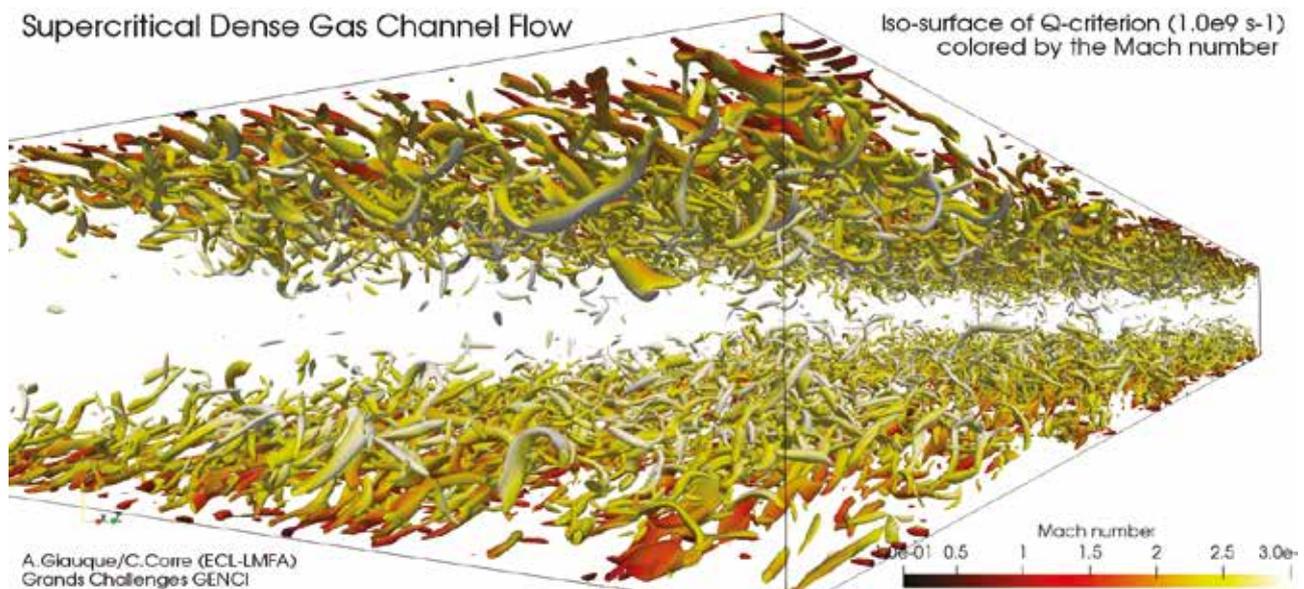


Figure : iso-surfaces de critère Q colorées par le nombre de Mach dans l'écoulement.

Yves Dubief^[1], Simon Mendez^[2], Guillaume Balarac^[3], Patrick Bégou^[3], Pierre Benard^[4], Ghislain Lartigue^[4], Renaud Mercier^[5] et Vincent Moureau^[4].

- [1] Univ. of Vermont
- [2] IMAG
- [3] LEGI
- [4] CORIA
- [5] SAFRAN

Le calcul intensif de haute fidélité en mécanique des fluides : un outil d'aide à la décision contre la propagation du virus SARS-CoV-2

La transmission par voies aériennes est un des principaux vecteurs de propagation du virus SARS-CoV-2. Les microgouttelettes pouvant contenir le virus sont éjectées dans l'air (toux, éternuement, voire simple respiration) et peuvent être maintenues en suspension sur des temps longs selon les conditions de l'écoulement environnant, avant d'être inhalées par d'autres personnes. **L'objectif de ce Grand Challenge a été d'évaluer les risques liés à ce mode de transmission, et l'efficacité des dispositifs de protection via des simulations numériques s'appuyant sur le code YALES2.** Ce code, déjà utilisé dans différents domaines (aéronautique, combustion, énergies renouvelables, médical...) a pu rapidement être mobilisé, dans le cadre en particulier d'un groupe de travail national sur le recyclage des masques coordonné par Philippe CINQUIN (TIMC).

Les simulations réalisées ont ainsi permis de simuler explicitement les instationnarités de l'écoulement responsables du maintien en suspension des gouttelettes. Les équations résolues permettent de tenir compte du taux

d'humidité de l'air et des variations des propriétés du fluide (masse volumique, viscosité) en fonction de la température, ce qui influence la dynamique des gouttelettes (transport par l'écoulement, effet de la gravité, évaporation, etc...). De plus, le couplage avec la librairie de maillage MMG a permis d'intégrer directement dans YALES2 la génération de maillage et son optimisation afin de pouvoir considérer des géométries complexes et d'optimiser le coût de calcul. En ce sens un travail important d'automatisation de l'ensemble de la chaîne de calcul a été réalisé. Cela a permis d'automatiser la réalisation d'un plan d'expérience : de la génération du maillage jusqu'au traitement des résultats (typiquement les distributions des gouttelettes inhalées par un sujet).

Ce travail a ainsi démontré que la simulation numérique de haute fidélité en mécanique des fluides, associée à la puissance des supercalculateurs, a désormais les capacités d'être un outil d'aide à la décision pour répondre à ce type de crise.

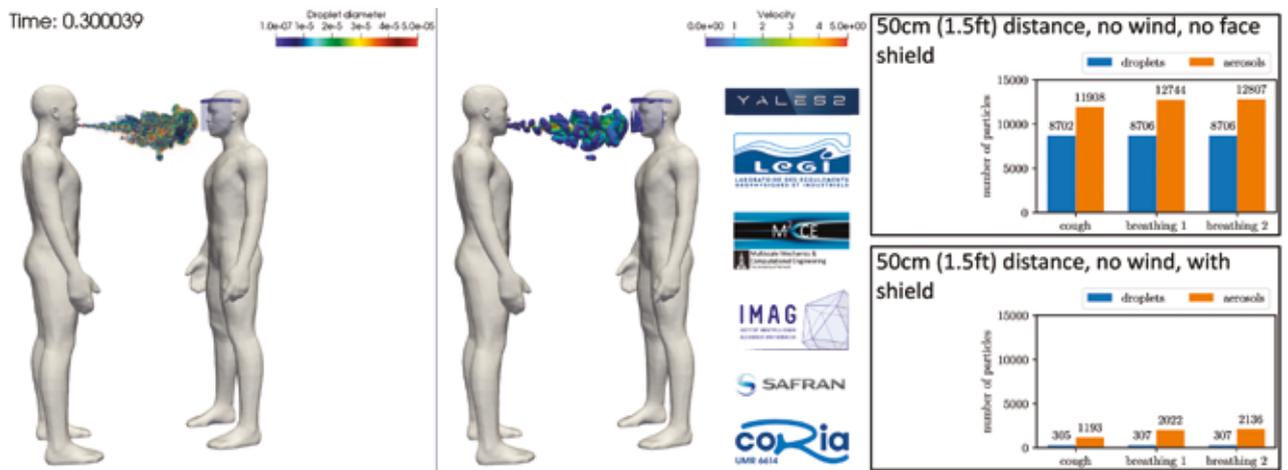


Figure : Illustration d'une simulation de toux et histogrammes des gouttelettes et aérosols inhalés.

Hervé Neau^[1], Maxime Pigou^[1], Pascal Fede^[1], Renaud Ansart^[2], Cyril Baudry^[4], Nicolas Méricoux^[5], Jérôme Laviéville^[5], Yvan Fournier^[5], Nicolas Renon^[3], Olivier Simonin^[1]

[1] Institut de Mécanique des Fluides de Toulouse (IMFT), Université de Toulouse, CNRS, Toulouse, France

[2] Laboratoire de Génie Chimique, Université de Toulouse, CNRS, INPT, UPS, Toulouse, France

[3] UMS CALMIP 3667 Université de Toulouse, CNRS, INPT, INSA, ISAE, UPS, Toulouse, France

[4] Délégation technologies et systèmes d'information, EDF R&D, Palaiseau, France

[5] Fluid Mechanics, Energy and Environment Dpt., EDF R&D, Chatou, France

Simulation massivement parallèle d'écoulements gaz/particules dans un réacteur à lit fluidisé industriel avec une approche n-fluid Euler

Ce Grand Challenge porte sur la simulation massivement parallèle d'un réacteur gaz/particule à lit fluidisé industriel. Ce procédé industriel fondé sur la mise en suspension d'une poudre par un gaz ascendant permet d'obtenir des propriétés hydrodynamiques très recherchées : qualité de mélange, mise en contact fluide-particules, inertie thermique... On le retrouve dans de multiples applications : craquages du pétrole, boucles de chemical looping (capture CO₂), gazéification de la biomasse, récepteurs solaires à lit fluidisé...

D'un point de vue théorique, ces systèmes sont très complexes : tridimensionnels, turbulents, instationnaires, multiphasiques, anisothermes, réactifs et fortement multi-échelles. Le besoin d'outils de simulation 3D de ces écoulements à l'échelle des installations industrielles est très fort, mais leur mise en œuvre pose toujours de nombreux problèmes.

L'objectif est d'évaluer les performances de la simulation de l'hydrodynamique et des transferts thermiques d'un réacteur industriel à lit fluidisé de 30m de haut, 5m de diamètre, et comportant 100 tonnes de particules dégageant 20MW avec le code massivement parallèle NEPTUNE_CFD. Le maillage utilisé compte 64 milliards de cellules cubiques de 1,25 mm.

Ce niveau de raffinement est le plus haut atteint pour une telle simulation et justifie l'utilisation de la nouvelle partition ROME de Joliot-Curie.

Ce Grand Challenge consacré à des tests de performance a permis de réaliser une première mondiale : simulation à l'échelle industrielle sur la totalité de la partition ROME avec 64 milliards de cellules. Une optimisation importante des paramètres de la librairie IntelMPI pour de si gros calculs a été menée ainsi qu'une optimisation des temps de lecture/écriture des fichiers d'entrée/sortie (de 55 min à 4 min de temps de lecture pour 12To). Il a aussi permis une étude poussée de scalabilité de NEPTUNE_CFD de 30 nœuds à 2250 nœuds de calcul mais aussi des analyses complémentaires : dépeuplement, profiling détaillé jusqu'à 72 064 coeurs.

Ces simulations extrêmes avec des maillages très raffinés demandent beaucoup de ressources de calcul intensif et permettent d'obtenir des résultats d'une précision inédite. Elles poussent le code, ses dépendances (MPI, partitionneur) et les supercalculateurs dans leurs limites respectives (IO, bande passante, mémoire). Elles font progresser la modélisation de systèmes industriels. Enfin ce Grand Challenge permet une étude comparative des performances en calcul intensif des différentes architectures de supercalculateurs. Certaines limites ayant été identifiées et levées, des calculs complémentaires sont en cours pour évaluer le gain lié à la dernière version d'IntelMPI optimisée pour la partition ROME de Joliot-Curie.

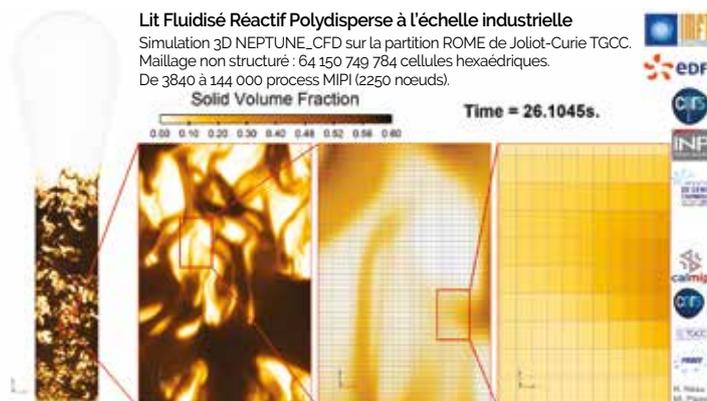


Figure : champ instantané de taux de présence des particules dans un lit fluidisé 3D réactif à l'échelle industrielle (zooms successifs faisant apparaître le maillage)

Renaud Mercier, Augustin Parret-Freud, Carlos Garcia-Guillamon, Mélody Cailler, Romain Pain, Sébastien Da Veiga, Xavier Roynard, Grégory Dergham, Fabien Casenave, Alexandros Markopoulos†

Safran Tech, Digital Sciences & Technologies
 Department, - Rue des Jeunes Bois, Châteaufort,
 78114 Magny-Les-Hameaux, France

Haute-fidélité et Intelligence Artificielle pour le design des moteurs aéronautiques de demain

D'excellents résultats ont été obtenus sur la partition AMD ROME de Joliot-Curie, en particulier sur les sous-projets portant sur le développement et la validation de l'approche volume finis pour la simulation de la lubrification et l'atomisation en conditions moteur ainsi que sur le sous-projet « IA pour la simulation numérique ».

Figure : vue instantanée d'un jet d'huile impactant un pignon en rotation et champ de vorticit 

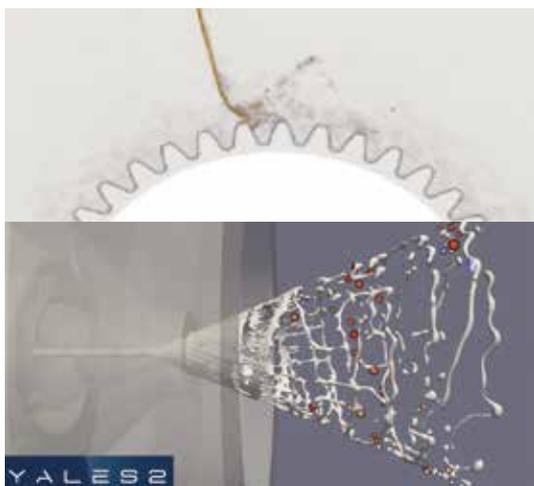


Figure : vue instantan e du spray carburant g n r  par un pressure swirl atomizer

Des simulations d'injection de k ros ne de type *jet-in-cross-flow*, puis *pressure swirl atomizer*, ont  t  r alis es avec succ s sur plusieurs milliers de c eurs avec adaptation de maillage dynamique.

Ces travaux ont fait l'objet d'une communication scientifique [Janodet et al. 2021].

Dans le contexte de la lubrification air-huile, cette m me m thodologie a  t  appliqu e   des configurations avec des dynamiques de l'huile de type *filming* et *splashing*.

D'importantes am liorations du temps de retour de ces simulations ont  t  r alis es en particulier.

Lesous-projet « IA pour la simulation num rique » a permis de r aliser sur la partition CPU AMD une base de donn es de 11 000 calculs 3D RANS sur la configuration Rotor37 avec fortes variabilit s g om triques param tr es.

L'int r t de cette base de donn es est double : d'une part, elle permettra dans le futur de d velopper et valider les diff rentes architectures de r seaux de neurones propos es dans la litt rature pour g rer des maillages volumiques, et d'autre part elle nous servira d'initialisation pour une proc dure de raffinement adaptatif, qui cherchera   effectuer des simulations suppl mentaires pour am liorer la repr sentativit  des r seaux de neurones dans les zones de l'espace o  ils ne sont pas pr cis.

Les sous-projets portant sur la validation de l'approche LBM pour la simulation a ro-thermo-acoustique de configurations complexes ainsi que sur la r duction de mod le pour la pr diction de la dur e de vie de pi ces m caniques critiques n'ont pas pu  tre initi s du fait des restrictions sur le temps de travail lors de la crise COVID.

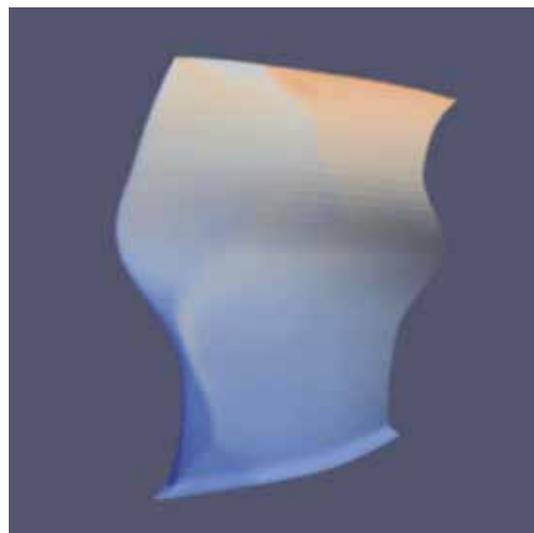


Figure : Aube de Rotor37 d form e, et le champ de pression calcul  par simulation CFD RANS stationnaire



Thomas Schmitt ^[1],
G. Staffelbach ^[2]

[1] Laboratoire EM2C, CNRS, CentraleSupélec, Université Paris-Saclay

[2] Centre Européen de Recherche et de Formation en Calcul Scientifique (CERFACS)

Influence de la résolution en maillage sur la prédiction de l'écoulement et de l'ambiance dynamique dans un moteur de fusée

L'objectif du projet est d'évaluer la capacité du calcul haute performance à prédire l'apparition d'instabilités de combustion dans un moteur de fusée via un changement de conditions opératoires, un aspect d'importance première pour l'industrie spatiale.

Dans ce Grand Challenge, nous nous sommes concentrés sur l'influence de la résolution en maillage sur la prédiction de l'écoulement et de l'ambiance dynamique dans la chambre.

Pour cela, un calcul instable a été réalisé sur 3 grilles différentes, allant de 80 millions de mailles à 1 milliard de mailles. Dans cette première étape, un raffinement homogène est utilisé.

Le résultat de la simulation en termes de champ moyen et fluctuant est peu sensible

au maillage, même si un écart est notable pour le maillage le plus grossier par rapport aux deux autres. De la même manière, les fréquences de résonance sont très similaires entre les maillages. Seul un écart en termes de perte de charge entre le dôme d'oxygène et la chambre de combustion est constaté pour le cas le plus grossier par rapport aux deux autres maillages.

Cependant, l'impact de la grille sur l'ambiance dynamique est important : chaque cas prédit un comportement instable différent.

Par la suite, une stratégie de raffinement de maillage automatique a été mise en place.

Les premiers calculs ont été initiés dans ce Grand Challenge et les simulations plus fines ont été poursuivies via une allocation PRACE.

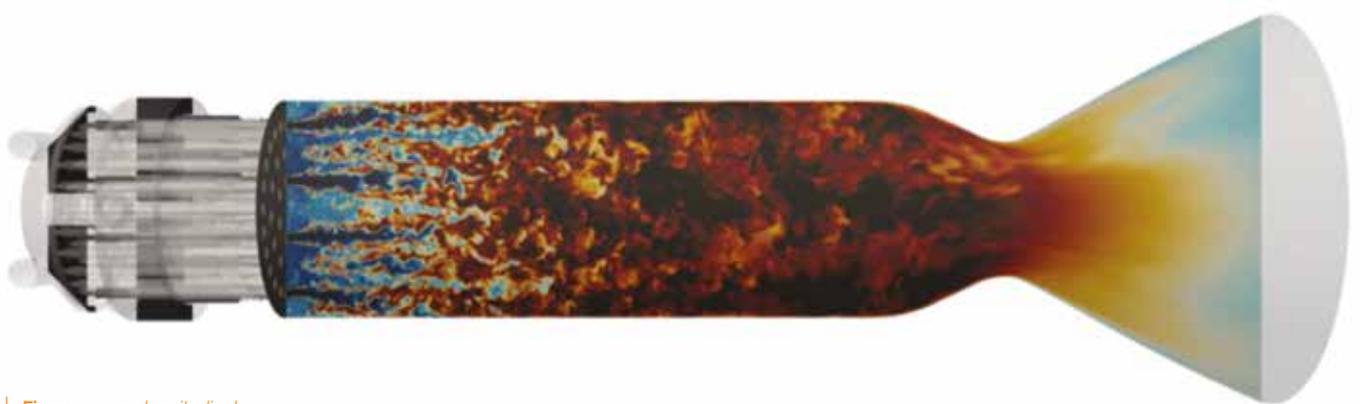


Figure : coupe longitudinale instantanée de température sur le maillage le plus fin pour la simulation du banc BKD du DLR (Groening et al., 2016).



Guillaume Bois,
Antoine du Cluzeau,
Alan Burlo,
Adrien Bruneton,
Anida Khizar.

CEA/DES/ISAS/DM2S/STMF

Simulations numériques directes pour améliorer la compréhension de la turbulence induite par les bulles

Les écoulements diphasiques présentent un intérêt pour l'étude des performances de nombreux échangeurs thermiques fondés sur l'ébullition.

Ils sont généralement étudiés par des modèles moyennés à deux fluides (RANS), seuls à même d'étudier des configurations industrielles. En revanche, ces modèles reposent sur une caractérisation de la turbulence fortement affectée par la présence de bulles et dont la compréhension évolue sous l'impulsion d'une recherche très dynamique et active. Des travaux récents montrent que ces fluctuations de vitesse dans le liquide, induites par la présence de bulles ont plusieurs origines.

Pour les comprendre finement, la simulation numérique directe (DNS) est un formidable outil. Nous l'employons pour simuler des essais homogènes de bulles avec représentation explicite des interfaces, afin de produire des données statistiques de référence qui permettent de renseigner les relations de fermeture des modèles RANS.

Ce Grand Challenge a permis d'approfondir ces travaux en fournissant des données pour des domaines plus grands, incluant jusqu'à 20 000 bulles, pour des taux de vides plus élevés (jusqu'à 36% contre 6% étudiés précédemment) et à des nombres de Reynolds de bulle assez élevés ($Re_B \approx 400$), tout en résolvant précisément toutes les échelles de l'écoulement.

L'originalité du cas repose dans la taille du domaine simulé.

A notre connaissance, il n'existe pas de publication de simulations numériques directes diphasiques avec résolution explicite des interfaces sur un domaine aussi large (plus de 20 000 bulles résolues).

L'innovation de ce Grand Challenge concernait la taille de l'essaim qui conduit à une augmentation du maillage pour franchir 500 millions d'éléments.

Cette limite posait des contraintes informatiques techniques qui ont pu être levées. Le type 'entier' du code a été changé de 32 bits à 64 bits afin de pouvoir charger des maillages contenant plus d'éléments et de faces (la limitation sur la numérotation des entités à un maximum de 2^{31} est maintenant levée, et les indices peuvent désormais atteindre 2^{63}).

Des analyses de performance et de scaling du code ont aussi permis de constater de forts ralentissements de certaines parties de l'algorithme, spécifiquement en lien avec le suivi du maillage lagrangien décrivant les bulles.

Ces difficultés sont un frein technique important à la collecte des statistiques nécessaires à l'analyse physique ; ils ouvrent la voie à de nouveaux travaux.

Ce Grand Challenge a aussi permis de démontrer la faisabilité de nouvelles études, actuellement en cours dans le cadre de thèses doctorales focalisées sur l'interaction d'un essaim de bulles avec de la turbulence homogène isotrope.

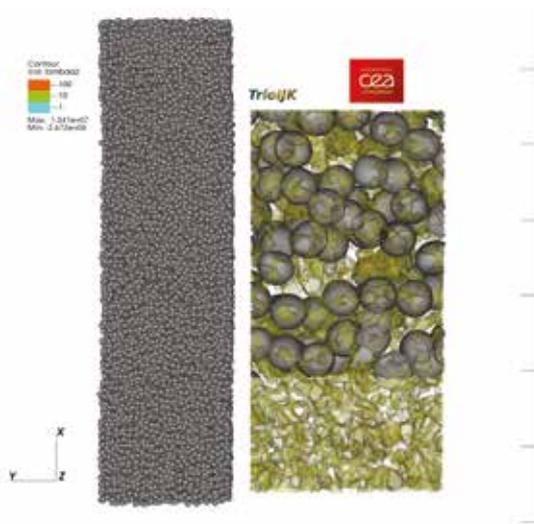


Figure : simulation d'un essaim de 22 300 bulles libres à $Re_B = 400$ et un taux de vide $\alpha = 36\%$



Edouard Audit ^[1], Julien Derouillat ^[1], Pierre Kestener ^[1], Samuel Kokh ^[2], Martial Mancip ^[1], Thomas Padioleau ^[1], Pascal Tremblin ^[1]

[1] CEA/DRF/MDLS

[2] CEA/DES/ISAS/DM2S/STMF/LMEC

Impact à haute vitesse d'une goutte d'eau

Lorsque la puissance d'un réacteur nucléaire augmente, cela conduit à abaisser la pression dans le circuit secondaire et donc diminuer le titre vapeur. Ce dernier peut descendre jusqu'à 0,97 et ainsi provoquer l'apparition de gouttelettes d'eau à haute vitesse. Lors du changement de direction du circuit, les gouttelettes impactent les parois qui peuvent ainsi être endommagées et accélérer le vieillissement du matériel. Une estimation de ce vieillissement est donc importante, notamment pour les réacteurs nucléaires embarqués.

L'objectif principal de ce Grand Challenge est d'étudier le champ de pression à haute résolution développé lors de l'impact d'une goutte d'eau contre une paroi rigide présentant des défauts, modélisant des impacts antérieurs.

La goutte d'eau est initialement à $40 \text{ m}\cdot\text{s}^{-1}$ dans de la vapeur d'eau à 30 bars. La dynamique est résolue par un modèle diphasique compressible, *Homogeneous Equilibrium Model*, à partir d'un modèle aux 5 équations avec retour instantané à l'équilibre thermodynamique. Le schéma de discrétisation s'appuie sur un *splitting* d'opérateur acoustique-transport. Ce schéma est implémenté dans une version diphasique du code ARK. La parallélisation du code est quant à elle réalisée à partir du modèle de programmation hybride MPI+Kokkos permettant ainsi sa portabilité sur la majorité des architectures HPC dont les biprocesseurs AMD ROME Epyc du calculateur Joliot-Curie.

Lors de ce Grand Challenge deux simulations ont été réalisées à résolution $1'024^3$ et $2'048^3$ soit 1,07 et 8,58 milliards de cellules respectivement sur 2292 nœuds et pour un total de 13 millions d'heures de calcul.

Les deux simulations ont mis en évidence le développement de pics de pression secondaires après l'impact initial.

Les défauts de la paroi ont eu pour effet de focaliser le liquide de la goutte et ainsi d'atteindre des pressions encore supérieures au premier pic de pression.

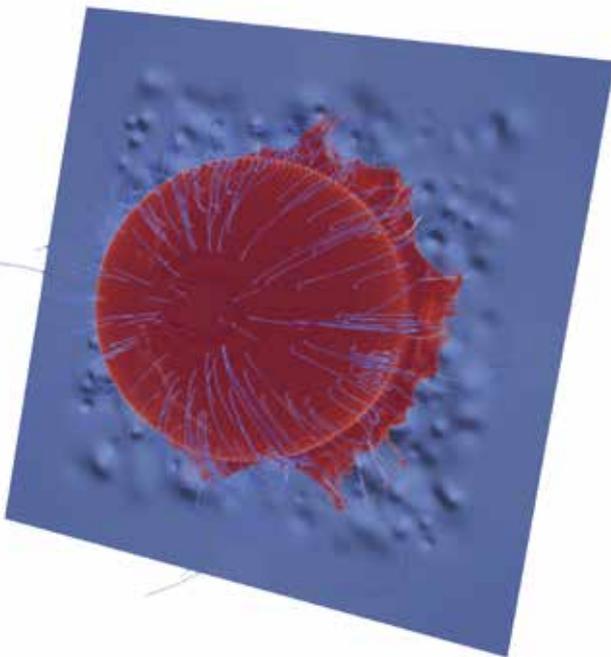


Figure : représentation volumique de la goutte d'eau (rouge) après impact sur une paroi présentant des défauts. Des jets d'eau liquide se forment après l'impact et sont déviés par les défauts du mur.



Valérie Vallet ^[1],
Michel Masella ^[2]

[1] Laboratoire PhLAM, Université de Lille, France
[2] CEA Direction de la Recherche Fondamentale,
Institut Joliot.

Effets de température, de taille et de composition sur le comportement de sels NaX dans des gouttelettes d'eau de la taille d'aérosols marins

Malgré le rôle majeur joué par les phénomènes physico-chimiques à l'interface de gouttelettes d'eau dans les phénomènes climatiques, de pollution atmosphérique ou encore de corrosion, ceux-ci sont encore difficilement étudiables expérimentalement.

Récemment nous avons proposé de nouveaux modèles physiques (en particulier polarisables) permettant de décrire de manière précise les interactions microscopiques entre des molécules d'eau et des sels usuels de type NaX (X=F-, Cl-, Br- et I-) qui constituent les composants principaux des aérosols marins.

Dans le cadre de ce Grand Challenge nous avons réalisé des simulations (à des températures allant de -25 à +45 °C) de gouttelettes d'eau contenant les sels précédents dans des concentrations usuellement observées dans des eaux saumâtres et de mer, mais également plus élevées (proche de la saturation). Le rayon de ces gouttelettes varie de 2 à 20 nm (les plus grandes correspondant à la taille typique d'aérosols marins, elles comprennent de l'ordre de 3 millions d'atomes).

Nos simulations montrent des différences de comportement marquées entre les deux types d'ions d'un même sel lorsqu'ils sont situés au cœur et en surface de ces gouttelettes et des différences de comportement tout aussi marquées entre les différents sels.

Ces simulations nous ont également permis d'étudier la convergence des nombreuses propriétés physiques de ces gouttelettes en fonction de leur taille et de discuter la validité d'équations macroscopiques comme l'équation de Kelvin ou de Koehler (couramment utilisée pour comprendre les phénomènes de condensation des aérosols en nuage) pour des tailles de gouttelettes inférieures au micron.

Outre l'ensemble des résultats générés lors de ce Grand Challenge qui feront l'objet de plusieurs publications, les gouttelettes étudiées vont nous servir de point de départ pour

de nouvelles simulations ayant pour objectif l'étude du comportement de molécules organiques (comme des sucres) naturellement présentes à la surface d'aérosols marins dont la taille est équivalente à celle de nos gouttelettes, mais également de polluants comme l'acide pyruvique dans des aérosols usuels et pour lesquels les rares données expérimentales disponibles sont difficilement interprétables.

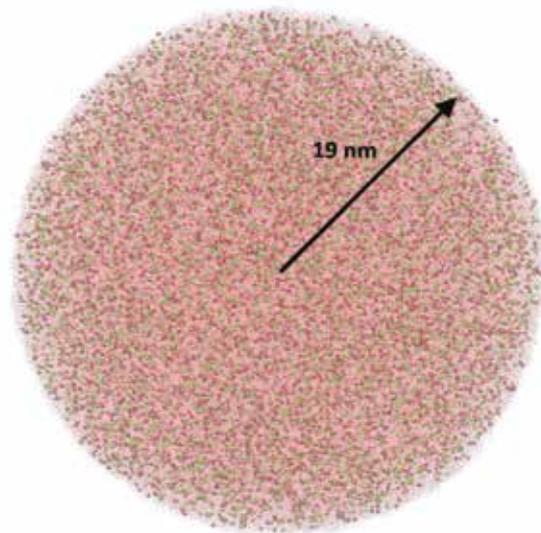


Figure : gouttelette contenant 1 million de molécules d'eau (représentées de manière transparente) et du sel NaCl (sphères rouges et vertes) à la concentration de l'eau de mer, simulée à température ambiante à l'aide du code parallèle POLARIS(MD) et de 4096 cœurs AMD Rome.



Mark Potse,
Emmanuelle Saillard,
Denis Barthou,
Yves Coudière

INRIA

Cardio100G

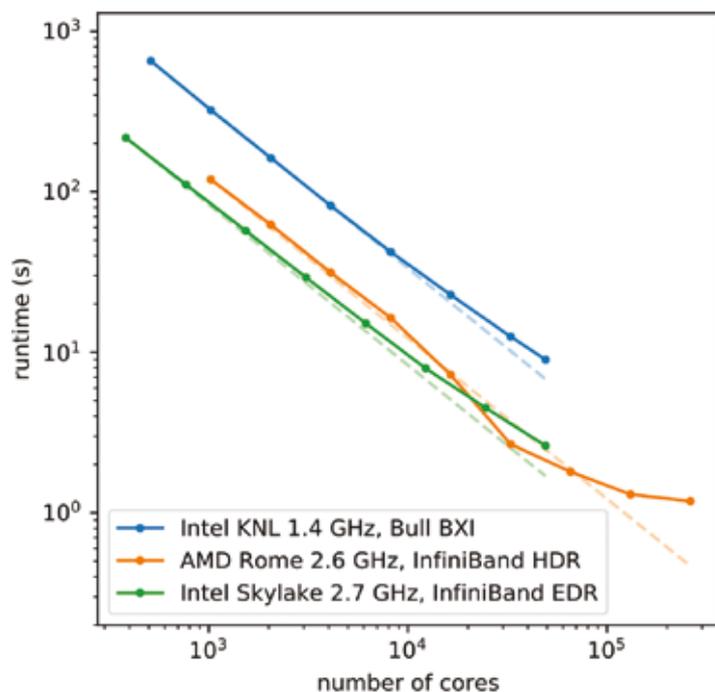
Les arythmies cardiaques sont une cause fréquente de santé dégradée et de décès, faisant même des victimes jeunes et apparemment saines. La présence d'anomalies structurales dans le tissu cardiaque constitue un facteur important de déclenchement et de maintien de ces arythmies. Perturbant la communication électrique entre les cellules, ces anomalies facilitent l'apparition spontanée d'ondes d'activation électrique du muscle cardiaque qui tournent sur elles-mêmes, et provoquent des battements cardiaques trop rapides et inefficaces.

Pour mieux comprendre le rôle de ces anomalies structurales dans les arythmies et trouver des moyens de diagnostic, nous avons besoin de raffiner nos modèles numériques du tissu cardiaque et de son comportement électrique, qui sont actuellement composés de 10 à 100 millions d'éléments avec une trentaine de variables par élément.

Le projet Cardio100G visait donc à mesurer la performance d'un code de simulation cardiaque existant sur la totalité de la partition AMD ROME.

Ces tests ont été effectués avec des simulations comportant jusqu'à 11 milliards d'éléments.

Ils ont d'abord permis d'identifier des verrous, tels que des limitations dans le parallélisme par fil d'exécution sur l'architecture ROME, et des limites sur le nombre de processus qui pourraient contribuer efficacement aux entrées et sorties de données, et à la procédure de décomposition de domaine.



Après avoir modifié le code pour n'affecter qu'une partie des processus à ces tâches nous avons pu démontrer son efficacité sur jusqu'à 262 144 cœurs de calcul.

Au-delà de dix mille cœurs de calcul, la partition AMD ROME s'avérait plus performante que la partition Skylake, pourtant cadencée un peu plus rapide.

Les résultats du projet ont été publiés^[1] et l'expertise gagnée a contribué au montage du projet EuroHPC MICROCARD^[2], lancé le 1^{er} avril 2021, qui vise à développer un code pouvant simuler des modèles encore 100 fois plus grands sur les futurs calculateurs exaflopiques.

Figure : performance du code sur un modèle relativement modeste comportant 168 millions d'éléments : comparaison de différentes architectures

^[1] Mark Potse, Emmanuelle Saillard, Denis Barthou, et Yves Coudière: Feasibility of Whole-Heart Electrophysiological Models with Near-Cellular Resolution. Dans: Computing in Cardiology, septembre 2020.
<https://hal.archives-ouvertes.fr/hal-02943513> https://www.cinc.org/2020/Program/accepted/126_CinCFinalPDF.pdf

^[2] <https://microcard.eu>



Sonia Martinot ^[1, 2, 3],
 Norbert Bus ^[1],
 Nikos Paragios ^[1]

[1] Therapanacea
 [2] MICS, CentraleSupélec
 [3] U1000, Institut Gustave Roussy.

Calcul des doses en radiothérapie avec la simulation Monte-Carlo

Le calcul des doses est crucial aujourd'hui pour la radiothérapie. En effet, les plans de traitement sont conçus et validés à partir d'une simulation du dépôt de dose dépendant de paramètres choisis par le médecin. Or, le calcul des doses Monte-Carlo reste à ce jour le plus précis, mais est sous-utilisé en pratique à cause des temps de calcul qui sont prohibitifs pour converger.

Le but du projet est d'explorer l'utilisation du deep learning, en particulier les réseaux récurrents long short-term memory (LSTMs), pour accélérer la convergence de la méthode et la rendre utilisable en clinique.

Pour entraîner ces modèles d'apprentissage profond, il est indispensable d'avoir un jeu de données suffisant.

Sur la partition AMD ROME du supercalculateur Joliot-Curie situé au TGCC, nous avons donc calculé 50 simulations de doses selon les plans de traitement par arc-thérapie volumétrique par modulation d'intensité de 50 patients.

L'accélérateur linéaire utilisé pour le calcul Monte-Carlo, a été modélisé avec OpenGate. Afin d'obtenir une simulation finale avec un maximum de 3% d'incertitude sur la dose déposée dans un voxel, il a été nécessaire de simuler 10^{21} particules pour chaque patient. Pour plus d'efficacité, cette simulation a été parallélisée en 1 000 sous-simulations à 10^{17} particules par patient.

Ainsi, chaque simulation globale a nécessité environ 4000 heures de calcul sur 4 cœurs (soit environ 16 000 heures comptabilisées sur Joliot-Curie). Grâce au jeu de données généré, nous avons pu entraîner des réseaux de neurones basés sur les LSTMs à accélérer le calcul Monte-Carlo de dose.

Les résultats de ces études ont été publiés dans plusieurs conférences :

- *Fast Monte-Carlo dose simulation with recurrent deep learning, ESTRO 2021,*
- *Weakly-supervised 3DConvLSTMs for Monte-Carlo radiotherapy dose simulations, MIDL 2021*
- *High-particle simulation of Monte-Carlo dose distribution with 3D ConvLSTMs, MICCAI 2021.*

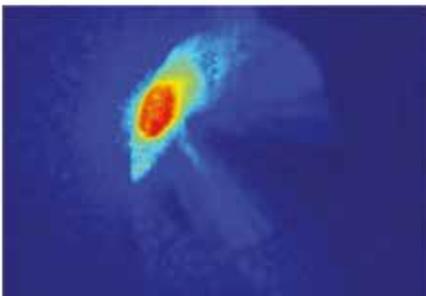


Figure : dose initiale bruitée

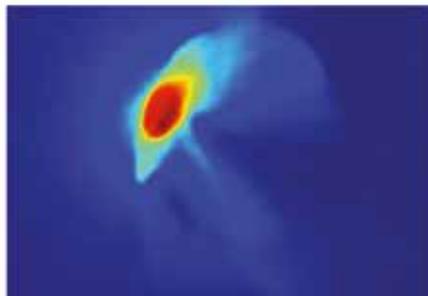


Figure : dose débruitée par le modèle

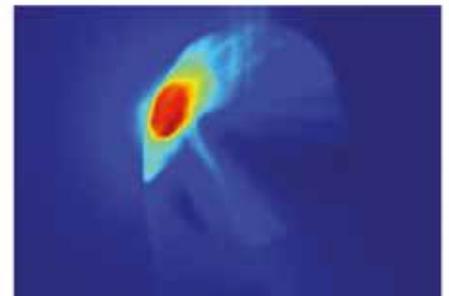


Figure : simulation de référence



Julien Aubert,
Thomas Gastine

Institut de Physique du Globe de Paris

Simulation numérique de la géodynamo à très haute résolution et dans des conditions quasi-terrestres

Le champ magnétique de la Terre est produit en son noyau métallique fluide par un mécanisme de dynamo auto-entretenu. La source d'énergie de ce mécanisme est le refroidissement de la planète, qui entretient une convection intensément turbulente dans le noyau. Le système physique décrivant la géodynamo fait donc intervenir une très large disparité d'échelles spatiales et temporelles, ce qui représente classiquement un obstacle pour toute simulation numérique.

Notre groupe a développé ces dernières années une approche théorique permettant de relier les conditions physiques des modèles numériques à celles de la Terre le long d'un chemin théorique dans l'espace des paramètres physiques du système.

Le long de ce chemin, le système préserve sa structure à grande échelle spatiale mais

l'augmentation progressive de la turbulence hydrodynamique enrichit graduellement son contenu en petites échelles.

Précédemment (Aubert 2019), nous avons élaboré une théorie décrivant cette disparité d'échelles spatiales, mais nous n'avons pas pu la valider dans des conditions extrêmes du fait de limitations numériques.

L'allocation d'heures du Grand Challenge nous a permis de réaliser une simulation numérique avancée à 36% du chemin théorique décrit ci-dessous, de caractériser la distribution d'échelles spatiales de la turbulence, et de valider notre approche théorique. Ces résultats permettent d'évaluer le degré de séparation d'échelles dans le noyau de la Terre ainsi que les détails de l'équilibre des forces qui régit la géodynamo.

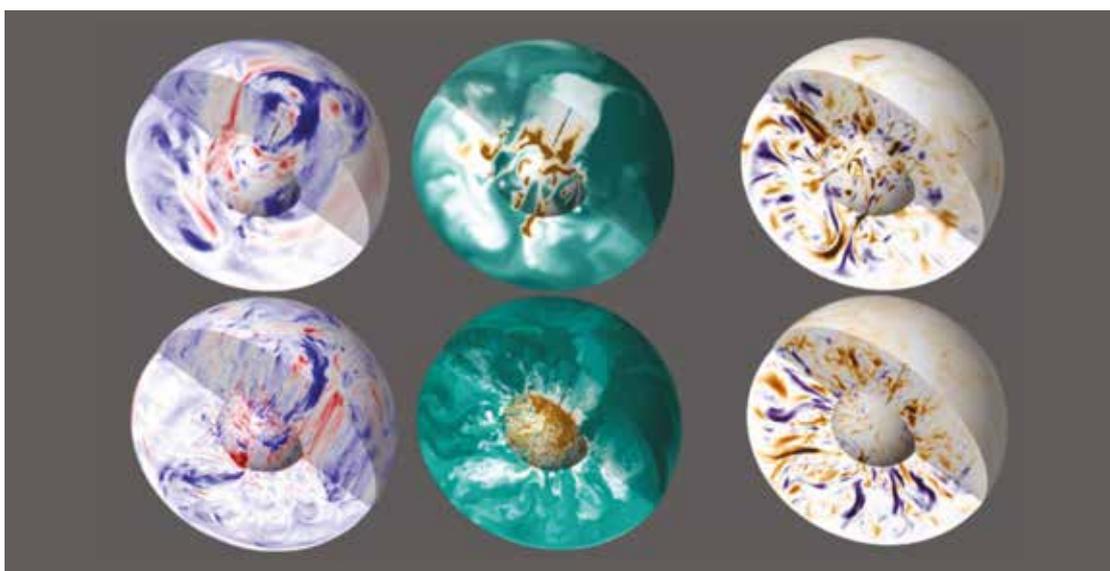


Figure : coupes de la simulation numérique présentant le champ de vitesse longitudinale (gauche), le champ d'anomalie de densité (au milieu) et le champ magnétique radial (à droite), dans une simulation numérique peu turbulente (ligne du haut) et dans la simulation numérique avancée réalisée au cours du Grand Challenge (ligne du bas)

Le long du chemin théorique qui relie la simulation numérique peu turbulente et la simulation numérique avancée, la turbulence hydrodynamique affectant le champ de vitesse et le champ d'anomalie de densité augmente fortement, ce qui implique un enrichissement de la solution en petites échelles d'espace. Le degré de turbulence magnétique est en revanche préservé, ce qui implique que le champ magnétique reste à grande échelle et préserve sa structure spatiale.

Bibliographie :
Aubert, J. : approaching Earth's core conditions in high resolution geodynamo simulations, *Geophysical Journal International* 219 S1, S137-S151, 2019, doi : 10.1093/gji/ggz232



Eric Armengaud, Ricarda Beckmann, Frédéric Bournaud, Olivier Bressand, Solène Chabanier, Damien Chapon, Sandrine Codis, Julien Devriendt, Yohan Dubois, David Elbaz, Raphael Gavazzi, Katarina Kraljic, Taysun Kimm, Clotilde Laigle, Jean-Baptiste Lekien, Garreth Martin, Nathalie Palanque-Delabrouille, Sébastien Peirani, Christophe Pichon, Pierre-Franck Piserchia, Adrienne Slyz, Maxime Trebitsch, Christophe Yèche.

Collaboration CEA, CNRS, Sorbonne Université
et Université Paris-Saclay

Comprendre l'Univers « noir » et la formation de galaxies primordiales Grand Challenge Extreme-Horizon

La collaboration Extreme-Horizon a produit une simulation inédite de l'évolution des structures cosmiques – galaxies, étoiles et trous noirs supermassifs – qui débute quelques instants après le Big Bang et se poursuit jusqu'à aujourd'hui. Les régions intergalactiques qui représentent 90 % du volume de l'Univers y sont décrites avec une résolution sans précédent.

Cette simulation, qui conduit à deux résultats surprenants aux échelles galactiques et cosmologiques, a fait l'objet le 4 novembre 2020 d'une publication dans *Monthly Notices of the Royal Astronomical Society* et *Astronomy & Astrophysics Letters*.

Le premier résultat de cette simulation concerne l'interprétation de grandes structures de l'Univers lointain: les « nuages » d'hydrogène intergalactiques. Par ailleurs, la haute résolution de la simulation Extreme-Horizon dans les régions de faible densité a permis de décrire l'accrétion de gaz « froid » sur les galaxies et la formation des galaxies massives ultra-compactes lorsque l'Univers n'avait que 2 à 3 milliards d'années.

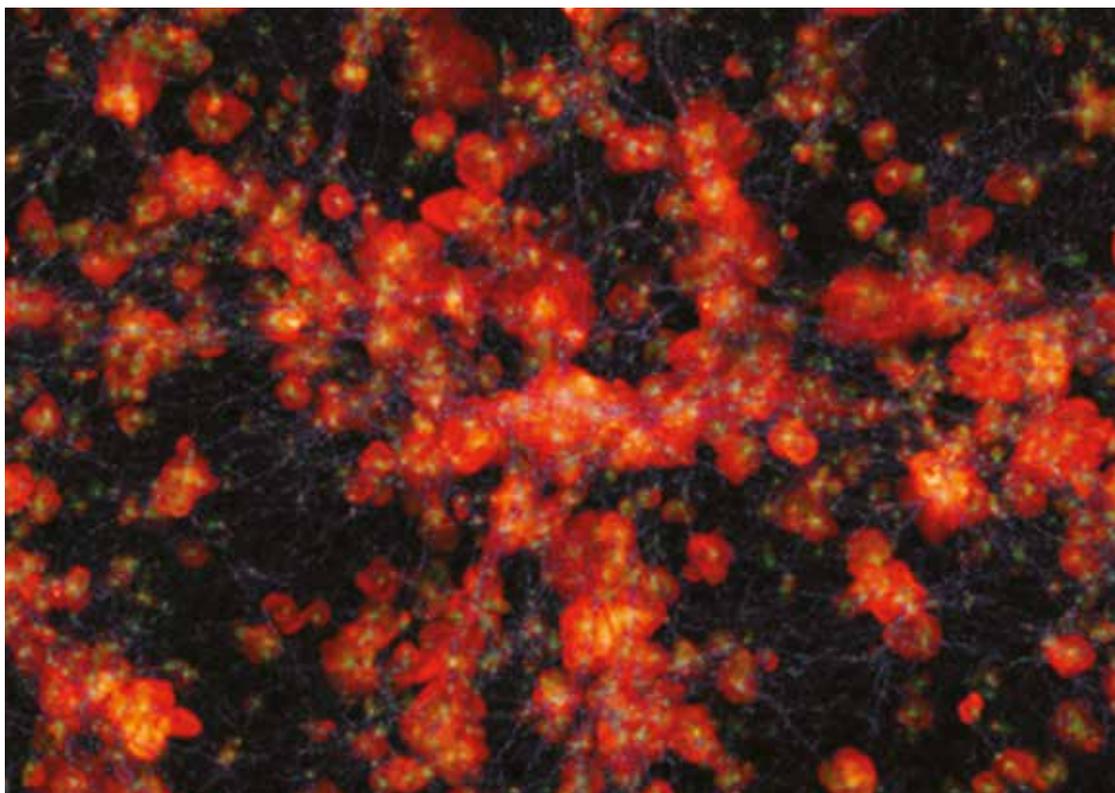
Cette simulation a utilisé cinquante millions d'heures de calcul et a nécessité la mise en œuvre de nouvelles techniques de lecture et d'écriture des données afin de réduire l'utilisation de l'espace disque et accélérer l'accès aux données.

Figure : vue de la simulation
Extreme-Horizon.

Le rouge correspond au gaz chaud, généralement expulsé des galaxies par les trous noirs supermassifs.

Le gris correspond au gaz primordial, froid, qui alimente les galaxies le long des filaments cosmiques.

Le vert correspond au gaz enrichi en éléments lourds (métaux) sous l'effet des explosions d'étoiles massives (supernovae).



Plus d'informations sur :
<https://www.cea.fr/presse/Pages/actualites-communiques/sciences-de-la-matiere/extreme-horizon-univers-noir.aspx>



Investigateur Principal :
Dr. Savvas Zafeiropoulos (CNRS, CPT Marseille)
Collaborateurs externes :
Prof. Dr. Fakher Assaad (Universität Würzburg, Allemagne),
Dr. Maksim Ulybyshev (Universität Würzburg, Allemagne),
Dr. Christopher Winterowd (Universität de Francfort, Allemagne)

Réduction du fossé entre les simulations numériques et l'expérimentation sur le graphène en suspension libre (free standing)

Depuis sa découverte expérimentale en 2004, le graphène a attiré l'attention de la communauté de la matière condensée et de la physique des hautes énergies. Cela est en partie dû au fait que ses excitations électroniques de basse énergie peuvent être décrites par une variante de l'électrodynamique quantique (QED).

Dans notre récente prépublication (<https://arxiv.org/pdf/2104.09655.pdf>), nous rapportons les résultats de simulations quantiques Monte-Carlo (QMC) à grande échelle du graphène. Grâce à des améliorations algorithmiques de pointe, nous sommes capables de considérer des volumes spatiaux, correspondant à 20 808 électrons, qui nous permettent d'accéder à des échelles d'énergie bien plus pertinentes pour les expériences. En utilisant des estimations par approximation de phase aléatoire contrainte (cRPA) des interactions à courte distance combinées à une queue de Coulomb semblable au vide, nous sommes en mesure de confronter avec succès les estimations numériques et expérimentales de la renormalisation de la vitesse de Fermi. Ces résultats et leur comparaison avec la théorie

des perturbations montrent non seulement le caractère liquide non-Fermi du graphène, mais prouvent également l'importance de la physique à l'échelle du réseau pour la description quantitative des données expérimentales pour la renormalisation de la vitesse de Fermi.

Nous nous concentrons sur l'étude de la vitesse de Fermi. La renormalisation de cette quantité dans l'infrarouge a déjà été observée dans plusieurs expériences. Bien qu'un certain nombre de calculs théoriques aient été effectués en utilisant une approche perturbative, il n'y a toujours pas de comparaison complète avec des calculs entièrement non perturbatifs. Comme la renormalisation de la vitesse de Fermi est un effet infrarouge, des calculs QMC sur de grands réseaux sont nécessaires pour résoudre cette fenêtre de petites impulsions.

Les ressources de la partition AMD ROME de Joliot-Curie ont rendu ce calcul possible et il vaut la peine de mentionner qu'il s'agit du premier calcul *ab initio* de cette ampleur dans le domaine de la physique de la matière condensée utilisant ces grandes tailles de systèmes.

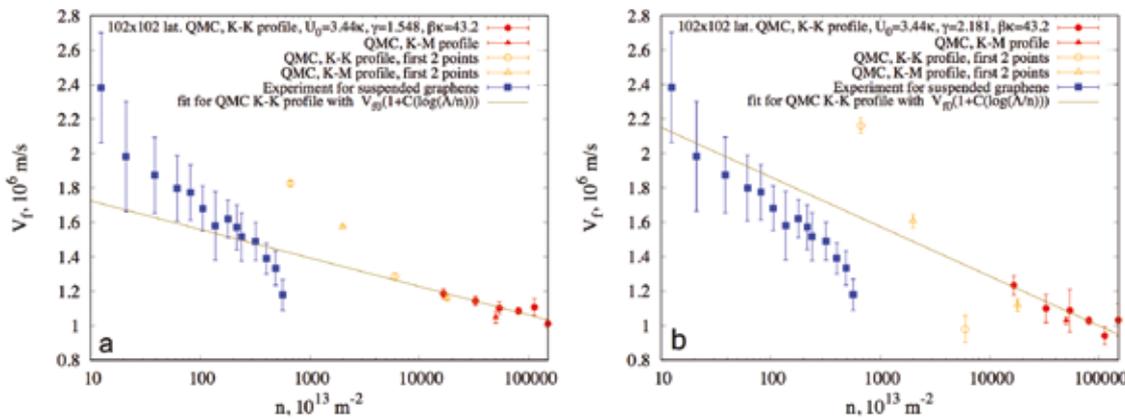


Figure : comparaison des résultats expérimentaux pour le graphène en suspension avec les données QMC obtenues avec les variantes potentielles I et II. Ce dernier correspond au graphène en suspension, tandis que le premier a une queue de Coulomb réduite.



Investigateur Principal :

Dr. Savvas Zafeiropoulos (CNRS, CPT Marseille)

Collaborateurs externes :

Dr. Joseph Karpie (Columbia University, USA),

Prof. Dr. Konstantinos Orginos (College of William&Mary and Jefferson Lab, USA),

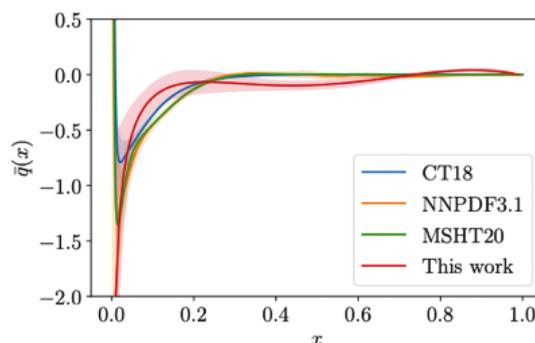
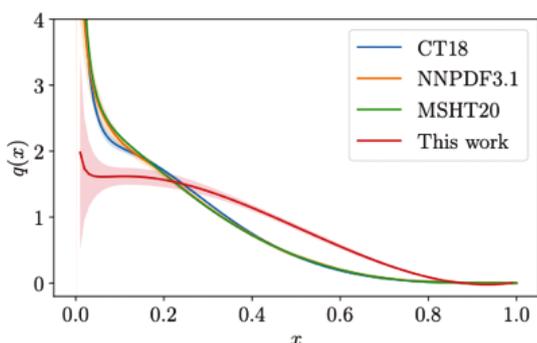
Prof. Dr. Anatoly Radyushkin (Old Dominion University and Jefferson Lab, USA)

Les limites du continu et de leading twist des fonctions de distribution de partons dans la Chromodynamique quantique (QCD) sur réseau

Un objectif clé du programme de physique nucléaire est une description des premiers principes de la structure des hadrons à partir de la chromodynamique quantique (QCD), la théorie des interactions fortes. Notre connaissance de la structure des hadrons est résumée dans une variété de mesures. Depuis les premières observations de la mise à l'échelle de Bjorken (Bjorken scaling) dans la diffusion inélastique profonde, une description longitudinale unidimensionnelle du nucléon a été fournie par le biais des fonctions de distribution de partons (PDF) non polarisées et polarisées. Afin de décrypter les informations provenant des expériences du Grand collisionneur de hadrons (LHC), et afin de capitaliser au maximum le potentiel du futur collisionneur électron-ion (EIC), il est d'une importance vitale de déterminer avec précision les PDFs. Le calcul

de la distribution des impulsions que les quarks et les gluons liés transportent dans le proton est un problème non perturbatif qui, en raison de la nature du cône de lumière des PDF était insaisissable pour les calculs QCD sur réseau jusqu'à très récemment. Lattice QCD permet le calcul de la structure non perturbative du nucléon à partir des premiers principes. Cependant, le calcul LQCD a lieu dans une version discrétisée de l'espace-temps euclidien et une étape clé de chaque calcul de ce type est ce qu'on appelle la limite du continu. Dans notre récent article (JHEP 11 (2021) 024), nous parvenons à obtenir cela pour la première fois pour la méthode des pseudo-PDFs et c'est une étape très importante dans notre domaine. Les ressources de la partition AMD ROME de Joliot-Curie ainsi que d'autres ressources en Allemagne et aux États-Unis ont rendu cela possible.

Figure : les PDFs pour les quarks (à gauche) et les antiquarks (à droite) de notre calcul avec les extractions phénoménologiques pertinentes.



Maxime LOUET,
Antoniël GOMES,
Nicolas FLOQUET

Institut des Biomolécules Max Mousseron (IBMM),
CNRS UMR5247, Université de Montpellier, ENSCM

Prédire la dynamique d'interaction des Récepteurs Couplés aux Protéines-G avec leurs partenaires intra-cellulaires

Les Récepteurs Couplés aux Protéines-G (RCPGs) forment, chez l'homme, une famille de protéines de plus de 800 membres et sont ciblés par près de 40% des médicaments actuellement sur le marché. Depuis quelques années nous testons l'utilisation de modèles gros-grains (ou Coarse-Grained) pour prédire la dynamique d'interaction de ces récepteurs membranaires avec leurs différents partenaires extra-^[1,2] ou intra-cellulaires.

Cette phase de Grand Challenge sur la partition AMD ROME du supercalculateur Joliot-Curie nous a permis d'améliorer notre protocole et de l'optimiser de telle sorte qu'il consomme aujourd'hui près de 5 fois moins d'heures qu'auparavant.

De nombreuses simulations de dynamique moléculaire de l'ordre de la milliseconde ont pu être obtenues et ce sur de nombreux systèmes (différents couples récepteur : partenaire) en utilisant Gromacs et le champ de forces MARTINI^[3].

Nos calculs ont permis de valider notre protocole et de montrer que ces modèles gros-grains étaient capables de prédire sans aucune contrainte inter-moléculaire appliquée, le couplage de ces récepteurs clé à leurs deux principales familles de protéines intra-cellulaires partenaires : les protéines-G et la bêta-arrestine. Nous espérons maintenant aller plus loin et prédire / expliquer la sélectivité de ces interactions à l'échelle moléculaire pour ensuite guider des expériences qui pourront être menées au sein du laboratoire.

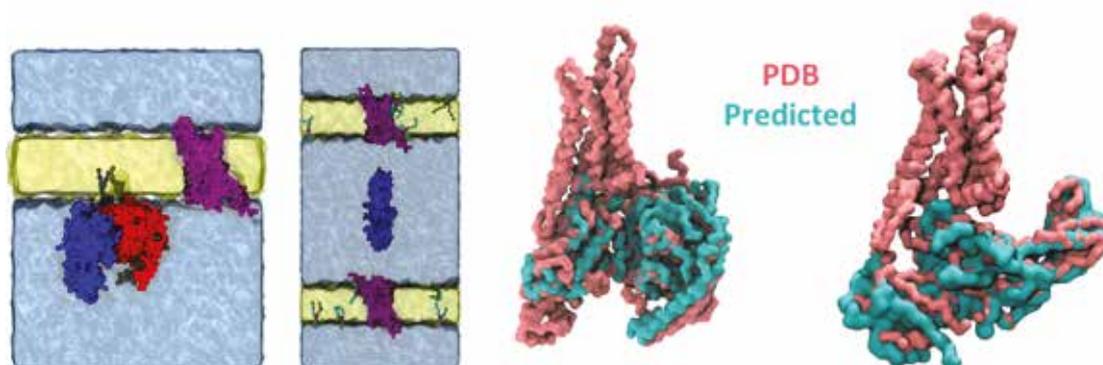


Figure :

À gauche : systèmes typiques utilisés lors nos calculs de dynamique moléculaire (en violet : un récepteur dans la membrane (en jaune), en bleu + rouge + gris : protéine-G hétéro-trimérique, en bleu : bêta-arrestine).

À droite : comparaison entre les modèles obtenus lors des simulations (en rose) et les orientations connues des mêmes partenaires dans la « Protein Data Bank » (PDB) (en bleu).

Références :

- [1] B. Delort, P. Renault, L. Charlier, F. Raussin, J. Martinez, N. Floquet, Coarse-Grained Prediction of Peptide Binding to G-Protein Coupled Receptors, *J Chem Inf Model.* (2017). <https://doi.org/10.1021/acs.jcim.6b00503>.
- [2] G. Ferré, M. Louet, O. Saurel, B. Delort, G. Czaplinski, C. M'Kadmi, M. Damian, P. Renault, S. Cantel, L. Gavara, P. Demange, J. Marie, J.-A. Fehrentz, N. Floquet, A. Milon, J.-L. Banères, Structure and dynamics of G protein-coupled receptor-bound ghrelin reveal the critical role of the octanoyl chain, *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.* 116 (2019) 17525–17530. <https://doi.org/10.1073/pnas.1905105116>.
- [3] S.J. Marrink, H.J. Risselada, S. Yefimov, D.P. Tieleman, A.H. de Vries, The MARTINI force field: coarse grained model for biomolecular simulations, *J Phys Chem B.* 111 (2007) 7812–7824. <https://doi.org/10.1021/jp071097f>.



D. Di Bari^[1],
S. Timr^[2],
F. Sterpone^[2]

[1] Institut Laue-Langevin Grenoble, France
[2] CNRS, Université de Paris, UPR 9080, Laboratoire
de Biochimie Théorique, 13 rue Pierre et Marie Curie,
F-75005, Paris, France

La mort cellulaire et la catastrophe structurale de son protéome

Nous sommes partis de l'hypothèse que la mort thermique d'une cellule coïncide avec une transition structurale globale de son protéome, à voir la perte de la structure native de ses protéines.

Dans le cadre de ce Grand Challenge, nous avons effectué des simulations à multi-échelles pour étudier ce scénario et rationaliser les résultats des expériences de diffusion de neutrons réalisées sur des cellules.

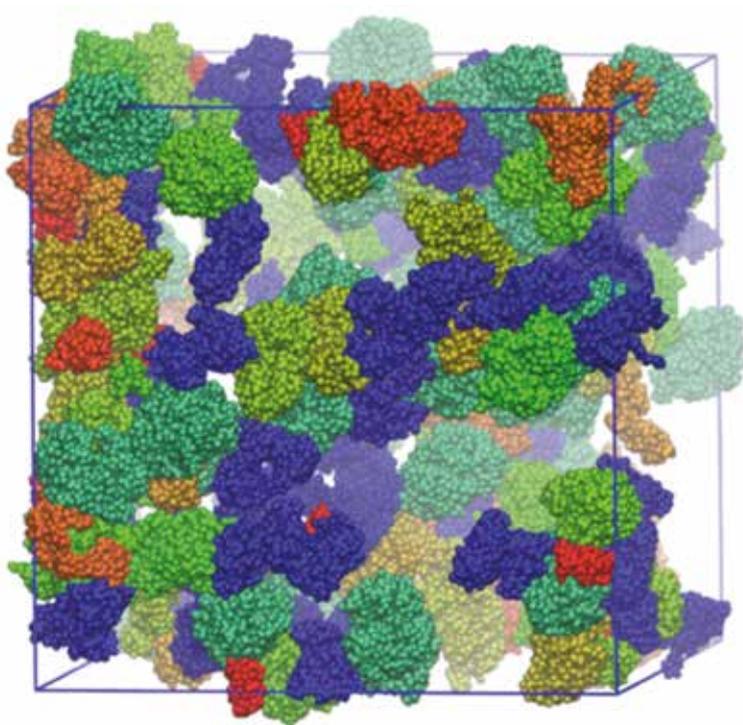


Figure : Représentation du cytoplasme modélisé

L'objectif principal de ces simulations était de caractériser et de suivre la dynamique des protéines *in vivo* jusqu'à la température de mort cellulaire.

Nous avons d'abord réalisé une simulation de dynamique moléculaire avec hydrodynamique (lattice Boltzmann MD) d'un système modèle du cytoplasme d'E. Coli constitué d'environ 200 protéines de tailles différentes avec une représentation gros-grains.

La simulation massive nous a permis de comprendre l'évolution de ce grand système à l'échelle de temps de la microseconde et d'identifier les états représentatifs de la structure locale.

De plus, nous avons extrait des sous-parties du système et nous avons reconstruit un modèle à la résolution tout-atome pour effectuer une dynamique moléculaire standard et avec échantillonnage amélioré.

Les simulations ont donné à la fois une vue globale et moléculaire de la dynamique des protéines à différentes échelles de temps, pour les états repliés et de-repliés, dans des conditions proches du *in vivo*.

Un article comprenant les résultats obtenus et leur concordance avec les expériences de diffusion neutronique est en cours de préparation.



Valérie VALLET^[1], Johann POTOSCHNIG^[2], Dmitry LYAKH^[3],
Hans Jorgen AAGAARD JENSEN^[4], Lucas VISSCHER^[2],
André SEVERO PEREIRA GOMES^[1]

[1]. Physique des Lasers, Atomes et Molécules, CNRS UMR8523, Université de Lille, France

[2]. Section Theoretical Chemistry, Faculty of Sciences, Vrije Universiteit Amsterdam, The Netherlands

[3]. Oak Ridge National Laboratory Leadership Computing Facility, USA

[4]. Department of Physics, Chemistry and Pharmacy, University of Southern Denmark, Denmark

Modélisation prédictive de la structure électronique de complexes d'actinides (PRECISE)

Les éléments lourds occupent une position centrale dans les sociétés modernes à cause de leur utilisation intensive comme composants d'objets d'utilisation quotidienne ou industrielle (métaux « d », et lanthanides), et dans la production d'énergie renouvelable (lanthanides) et nucléaire (actinides). Dans chacune de ces activités, il est indispensable de comprendre les processus physiques et chimiques sous-jacents, ce qui revient souvent à caractériser le comportement de la matière à l'échelle microscopique. Pour les actinides et d'autres éléments radioactifs, les difficultés à manipuler expérimentalement les molécules en question font que la modélisation théorique est devenue

incontournable^[1], à condition que les méthodes utilisées soient assez précises pour avoir une valeur prédictive.

Dans le projet PRECISE nous avons comme objectif de caractériser la fiabilité de la méthode DFT (largement utilisée à cause de son faible coût calculatoire) pour des propriétés de complexes d'actinides de tailles variées (voir exemples dans la figure ci-dessous) au travers d'une comparaison avec des méthodes de haute précision comme la méthode couplé cluster (CC) - qui dans sa version relativiste^[2] a récemment été (re) implémentée pour des architectures (pre-) Exascale^[3].

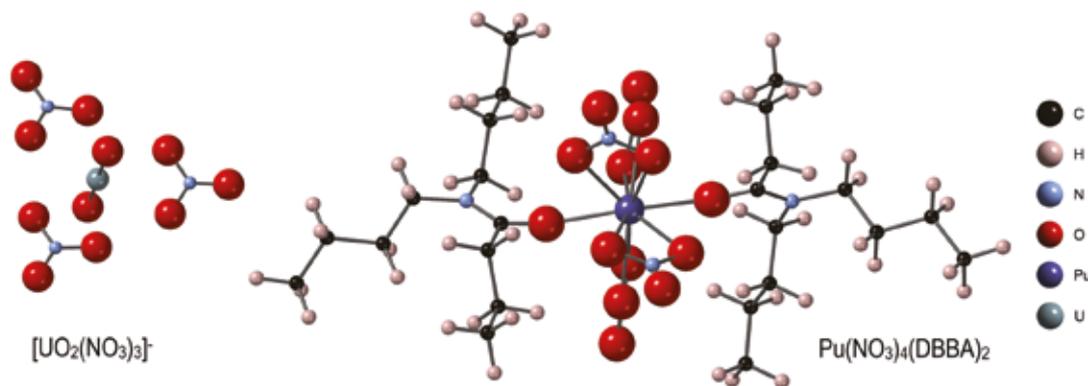


Figure : complexes de l'ion uranyle (UO_{22+}) avec ions nitrate (gauche), et de $Pu(IV)$ avec ions nitrate et N,N -dialkylamides (DBBA) (droite), investigués avec des méthodes de structure électronique relativistes basées sur des approches à 4 composantes.

Pendant le projet, nous avons réussi à traiter des complexes d'uranyle (202 électrons et environ 1000 spineurs virtuels) avec les approches DFT et CC^[3], et de plus gros complexes contenant du plutonium et des ligands de séparation de nouvelle génération (jusqu'à 442 électrons) avec la DFT. La comparaison de la DFT avec la méthode CC pour ce dernier système sera possible une fois que des développements supplémentaires (actuellement en cours) seront rendus disponibles dans le code CC^[3].

^[1] R. Maurice, E. Acher, N. Galland, D. Guillaumont, F. Réal, E. Renault, J. Roges, A.S.P. Gomes, B. Siberchicot, V. Vallet, L'Actualité Chimique, 2021

^[2] T. Saue et al., "The DIRAC code for relativistic molecular calculations", J. Chem. Phys. 152 (2020) 204104 <https://diracprogram.org>

^[3] J. V. Pototschnig, A. Papadopoulos, D. I. Lyakh, M. Repisky, L. Halbert, A. S. P. Gomes, H. J. Aa. Jensen, L. Visscher, "Implementation of relativistic coupled cluster theory for massively parallel GPU-accelerated computing architectures" J. Chem. Theory Comput. 17 (2021) 5509



Anthony Scemama,
Pierre-François Loos

Laboratoire de Chimie et Physique Quantiques
- CNRS - Université Paul Sabatier, Toulouse

Calculs de référence pour la photochimie

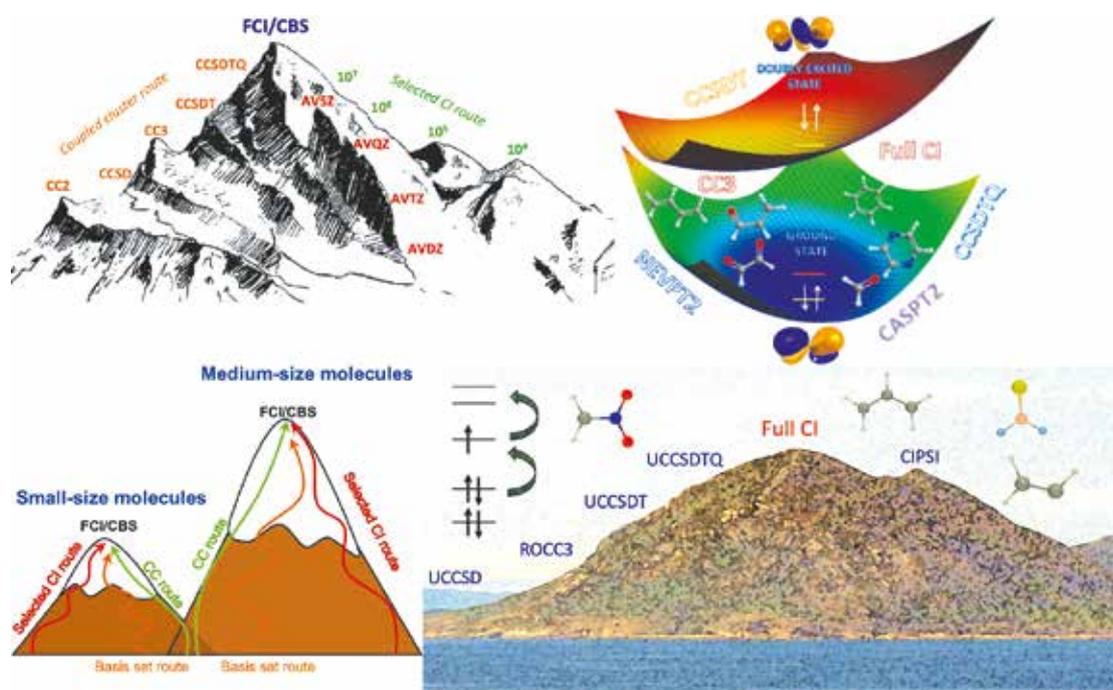


Figure : représentations schématiques des différents sous-ensembles moléculaires composant la base de données QUEST des énergies d'excitation verticale.

L'interaction de la lumière et de la matière joue un rôle majeur dans la description de nombreux processus physiques, chimiques et biologiques, tels que les dispositifs photovoltaïques, la photophysique de la vision, et la photochimie en général. Au cœur même de la photochimie se trouve le rôle subtil joué par les états électroniques les plus bas en énergie et leurs interactions mutuelles. En général, la description correcte de ces phénomènes nécessite de situer avec suffisamment de précision les quelques premiers états excités du système.

La chimie quantique est toujours très en demande de données de référence* (c'est-à-

dire de très haute précision) afin de comparer les méthodes de calcul ou fournir des énergies de référence pour les expérimentateurs. Cependant, définir une méthode efficace fournissant de manière fiable et précise les énergies et les propriétés d'états excités reste un défi majeur de la chimie théorique.

Ce Grand Challenge nous a permis de repousser les limites actuelles et de calculer avec le code Quantum Package des énergies d'excitation d'une qualité inégalée pour une vingtaine de molécules^[1].

^[1] Les résultats obtenus ont complété notre base de données nommée QUEST, qui a récemment été mise à la disposition de la communauté via un site web (https://lcpq.github.io/QUESTDB_website). Ces données servent aujourd'hui à améliorer les méthodes de calcul usuelles, ou à proposer de nouvelles méthodes précises et beaucoup moins coûteuses.

^[1] Mickaël Véril, Anthony Scemama, Michel Caffarel, Filippo Lipparini, Martial BoggioPasqua, Denis Jacquemin, Pierre-François Loos, «QUESTDB: A database of highly accurate excitation energies for the electronic structure community» WIREs Comput Mol Sci. 2021:e1517. <https://doi.org/10.1002/wcms.1517>

Ari P. Seitsonen,
Rodolphe Vuilleumier,
Damien Laage

Laboratoire PASTEUR (ENS/PSL/SU/CNRS), Ecole
Normale Supérieure, Paris

Structure et diffusion du proton hydraté

Un grand nombre de processus chimiques essentiels allant de la respiration dans nos cellules à la production d'énergie par des piles à combustible reposent sur un même mécanisme à l'échelle moléculaire : le transport de protons dans un milieu aqueux. Cependant, la structure moléculaire d'un proton en excès dans l'eau liquide reste toujours mystérieuse, malgré plusieurs décennies d'études.

Une des questions principales est de déterminer le degré de délocalisation de ce proton, c'est-à-dire s'il est porté par une seule molécule d'eau ou plutôt partagé entre plusieurs molécules. Alors qu'une structure localisée était largement admise, de récents travaux expérimentaux ont suggéré que le proton serait en fait délocalisé sur deux molécules d'eau. Les données expérimentales étant ambiguës, des simulations sont nécessaires pour trancher cette question. Cependant, pour être prédictifs, les calculs requis sont extrêmement coûteux. Ceux-ci nécessitent à la fois des calculs de chimie quantique de haut niveau pour la

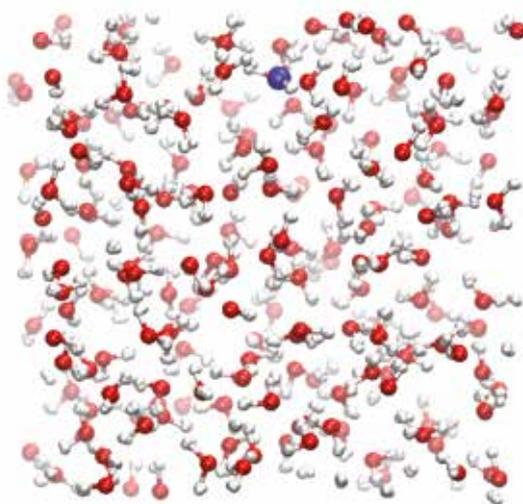
structure électronique ainsi qu'un traitement explicite des effets quantiques nucléaires en raison du caractère très léger du proton.

Les moyens de calcul exceptionnels mis à disposition dans le cadre de ces Grands Challenges nous ont permis de réaliser une première étude combinant ces descriptions de haut niveau (théorie de la fonctionnelle de densité B3LYP et dynamique moléculaire de polymère anneau RPMD).

Nos résultats ont montré que le proton est le plus souvent localisé sur une molécule d'eau lorsqu'il est dans son état vibrationnel fondamental, mais qu'il est délocalisé dans son état vibrationnel excité sondé par les expériences de spectroscopie récentes.

Ceci permet de mieux cerner le comportement du proton dans l'eau. Les données de haute précision acquises dans ce projet serviront à calibrer les calculs de futures études sur le proton dans différents milieux aqueux complexes rencontrés dans les applications.

Figure : proton en excès dans l'eau décrit par simulations de dynamique moléculaire combinant effets quantiques électroniques et nucléaires



Adrien Gola^[1], Fabrice Thalmann^[1],
Carlos Marques^[1], Fabien Léonforte^[2],
Odile Aubrun^[2], Aldo Pizzino^[2],
Bernard Querleux^[2].

[1] - Institut Charles Sadron, CNRS et Université de
Strasbourg, Strasbourg, France

[2] - L'Oréal Research and Innovation, France

Structure des gels lamellaires d'alcools gras

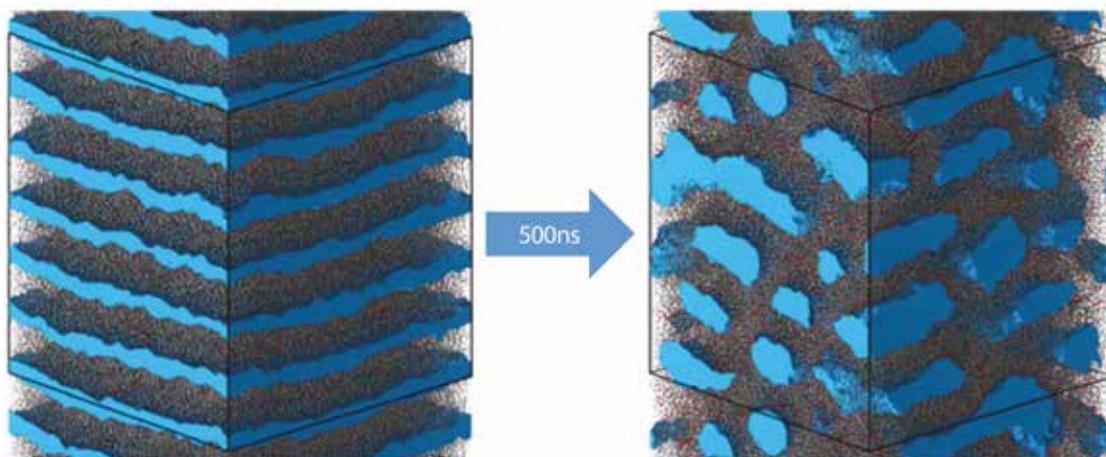
Malgré leur grande importance dans les formulations cosmétiques, les réseaux lamellaires d'alcools gras demeurent très mal compris à toutes les échelles. La bicouche de mélanges d'alcools gras et de tensioactifs est la brique élémentaire du réseau, une brique dont les propriétés physiques telles que l'élasticité, la mobilité, la perméabilité ou encore le comportement de phase sont peu connues alors qu'elles jouent un rôle clé dans la rhéologie de la formulation. Nous avons utilisé un modèle de dynamique moléculaire tout atome (GROMACS/ Charmm36)

de flexion lors du passage de la phase gel à la phase fluide.

Cette étude a également démontré la forte propension des molécules d'alcool gras à effectuer des renversements intra-membranaires. Ces molécules peu hydratées permettent au système de se réarranger, une caractéristique physique mise ici en évidence pour la première fois.

Nous avons étudié ces réarrangements à l'aide de systèmes peu hydratés (8 molécules d'eau

Figure : évolution d'un système périodique composé de 6 membranes d'un mélange de tensioactifs et d'alcool gras vers une structure pontée après 500 ns à 333K. Les surfaces bleues représentent l'eau dans le système à un niveau d'hydratation correspondant à 8 molécules d'eau par chaîne alkyle. Les chaînes alkyles sont représentées en gris, les groupements alcools en rouge et les groupement ammonium en bleu foncé. Les atomes d'hydrogènes sont masqués.



pour étudier ces propriétés pour des systèmes comportant 20% de tensioactifs.

Nous avons d'abord étudié un système composé d'une seule membrane hydratée à des taux de 10 à 20 molécules d'eau par chaîne. La membrane est composée de 5280 chaînes.

Ces systèmes représentant des patches périodiques d'environ 30 nm x 30 nm nous ont permis de suivre l'évolution de leurs propriétés mécaniques en fonction de la température via des analyses de la fluctuation de la surface de la membrane. Nous avons pu détecter une diminution d'un ordre de grandeur du module

par chaîne) composés de 6 membranes (31680 chaînes) dans une boîte de simulation de 30 nm x 30 nm x 30 nm.

Le caractère labile des molécules d'alcool gras permet de réduire les contraintes tensiles du système par une transformation structurelle de l'empilement lamellaire. Celui-ci développe une courbure importante à l'interface eau-alcool gras surfactants, conduisant à une structure inattendue qui pourrait bien être représentative d'une nouvelle phase lyotrope.



L. Soulard ^[1] ^[2],
O. Durand ^[1],
Th. Carrard ^[1],
L. Colombet ^[1]

[1] CEA, DAM, DIF, F-91297 Arpajon, France

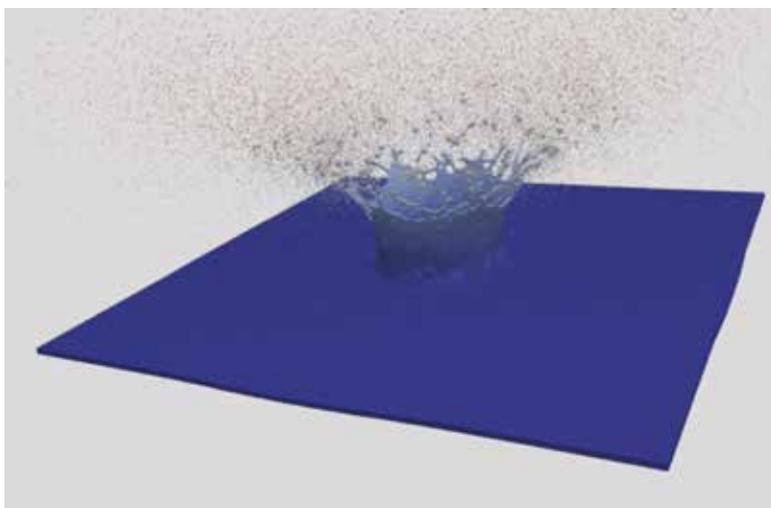
[2] Université Paris Saclay, CEA, Laboratoire Matière en
Conditions Extrêmes, Bruyères-le-Châtel 91680, France

Impact d'une particule sur une surface solide

Ce Grand Challenge avait pour objet la simulation de l'impact de particules d'étain solide sur une surface du même métal, et la comparaison avec des expériences. Les phénomènes qui découlent de ce type d'impact (ondes de choc, fragmentation, éjection de matière...) restent en effet assez mal connus et leur maîtrise est d'une grande importance pour l'optimisation de procédés industriels comme l'impression par jet d'encre ou le refroidissement de surfaces par projection de spray.

La méthode de calcul retenue est la dynamique moléculaire classique car elle permet *a priori* de restituer l'histoire complète de l'impact, mais à petite échelle par rapport aux situations réelles. **Le premier objectif de ce Grand Challenge était donc de s'assurer de la représentativité des simulations par comparaison avec des résultats expérimentaux de la littérature^[1].** Ce point acquis, la seconde phase du travail, actuellement en cours, est une analyse très fine des mécanismes de fragmentation de la particule.

Les simulations ont été menées avec le code ExaStamp^[2] développé au CEA-DAM. Ce code de nouvelle génération permet de tirer au mieux partie de l'architecture de machines comme Joliot-Curie. Le potentiel interatomique retenu est le potentiel MEAM^[3] permettant de restituer correctement les propriétés de l'étain dans le domaine thermodynamique concerné. Pour s'affranchir d'effets de bord indésirables, environ 1,3 milliard d'atomes ont été pris en compte. Sept vitesses d'impact, s'étageant de 500 m/s à 5000 m/s, ont été étudiées. Chaque simulation, effectuée sur 16 000 cœurs, a requis environ 3 millions d'heures de calcul.



Les résultats obtenus confortent et complètent les approches purement théoriques^[4], et permettent de définir des lois d'échelles simples entre simulation et expérience.

Figure : éjection d'atomes à la suite de l'impact d'une particule d'étain à 3000 m/s sur une surface solide du même métal

Conformément aux observations expérimentales, l'impact se traduit par un simple collage de la particule sur la surface à basse vitesse d'impact, jusqu'à sa désintégration complète en gouttelettes (figure) à haute vitesse d'impact.

Les détails de ces processus, assez complexes, sont en cours d'analyse.

Bibliographie.

^[1] M. Hassani-Gangaraj, D. Veyssset, K. A. Nelson, et C. A. Schuh, *Nat. Commun.* 9, 5077 (2018).

^[2] R. Prat, T. Carrard, L. Soulard, O. Durand, R. Namyst et L. Colombet, *Comput. Phys. Commun.* 253, 107177 (2020).

^[3] R. Ravelo et M. Baskes, *Phys. Rev. Lett.* 79, 2482 (1997).

^[4] L. Soulard, O. Durand, R. Prat et T. Carrard, *J. App. Phys., Journal of Applied Physics* 129, 205104 (2021); <https://doi.org/10.1063/5.0046250>



Ivan Duchemin ^[1],
Xavier BLASÉ ^[2]

[1] CEA
[2] CNRS, institut Neel

Un calcul GW tout électron sur 1 millier d'atomes !

Le calcul des propriétés électroniques des matériaux organiques est une clef essentielle pour la compréhension et la maîtrise des mécanismes physiques à l'œuvre dans les dispositifs de type photovoltaïque (PV) organique ou les OLED (diode électroluminescente organique). Que ce soit pour l'étude des propriétés optiques de ces matériaux, ou plus indirectement pour celle des propriétés de transport, via les mécanismes de dopage notamment, l'équipe L Sim développe depuis plusieurs années des méthodologies basées sur les théories de perturbation à N corps, et plus précisément la théorie dite GW, permettant d'accéder *ab initio* aux grandeurs d'intérêt pour des systèmes physiques d'intérêt expérimental.

La méthode GW permet de calculer les excitations des molécules comme les spectres d'absorption, de photo-émission ou la fluorescence. Calculer les excitations d'une molécule de 100 atomes par la méthode GW est déjà possible mais requiert des ordinateurs parallèles au niveau national.

Fruit d'une collaboration avec les chercheurs de l'institut Néel, un ensemble d'innovations théoriques a permis de réduire significative-

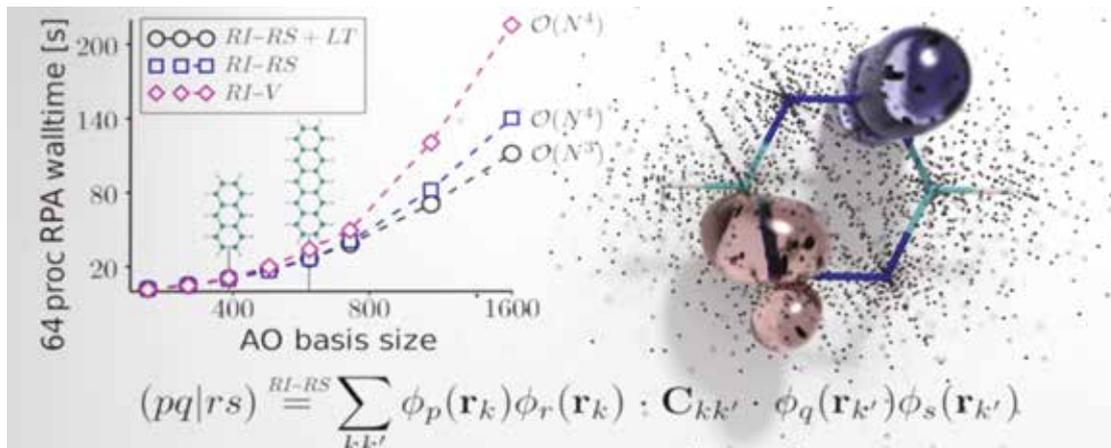
ment la complexité calculatoire du formalisme GW, jusque-là $O(N^4)$, pour l'aligner avec celui de la DFT $O(N^3)$, rendant ainsi ces calculs accessibles pour des systèmes de grandes tailles, de l'ordre du millier d'atomes.

Ces développements, implémentés dans le code de calcul massivement parallèle *beDefT*, ont fait l'objet d'un grand challenge sur l'extension AMD ROME du supercalculateur Joliot-Curie du centre TGCC du CEA à Bruyères-le-Châtel, qui a permis la démonstration du premier calcul GW tout électron sur un système d'un millier d'atomes.

Ce travail s'appuie sur deux innovations fondamentales :

- la formulation d'une technique de résolution de l'identité séparable, basée sur une approche en espace réel,
- l'application des techniques d'analyse complexe dites de continuation analytique à la description du potentiel coulombien écranté (W), ingrédient central de la méthodologie GW.

Figure : coût numérique de différentes méthodes GW pour le calcul des interactions coulombiennes en fonction du nombre d'orbitales atomiques. Illustration de la méthode GW en espace réel avec le nuage de points considérés pour la molécule de tétrazine.





Michele Casula^[1] (porteur du projet Grand Challenge)

en collaboration avec :

Lorenzo Monacelli^[2], Kosuke Nakano^[2], Sandro Sorella^[3], Francesco Mauri^[4].

^[1]CNRS et Institut de Minéralogie, de Physique des Matériaux et de Cosmochimie, Sorbonne Université, Paris, France

^[2]University of Rome, "Sapienza", Dipartimento di Fisica, Rome, Italie

^[3]International School for Advanced Studies (SISSA), Trieste, Italie

^[4]International School for Advanced Studies (SISSA), Trieste, Italie et Japan Advanced Institute of Science and Technology (JAIST), Japon

Résultats prochainement publiés dans la revue *Science* et publiés sur archives ouvertes sur : <https://arxiv.org/abs/2202.05740>

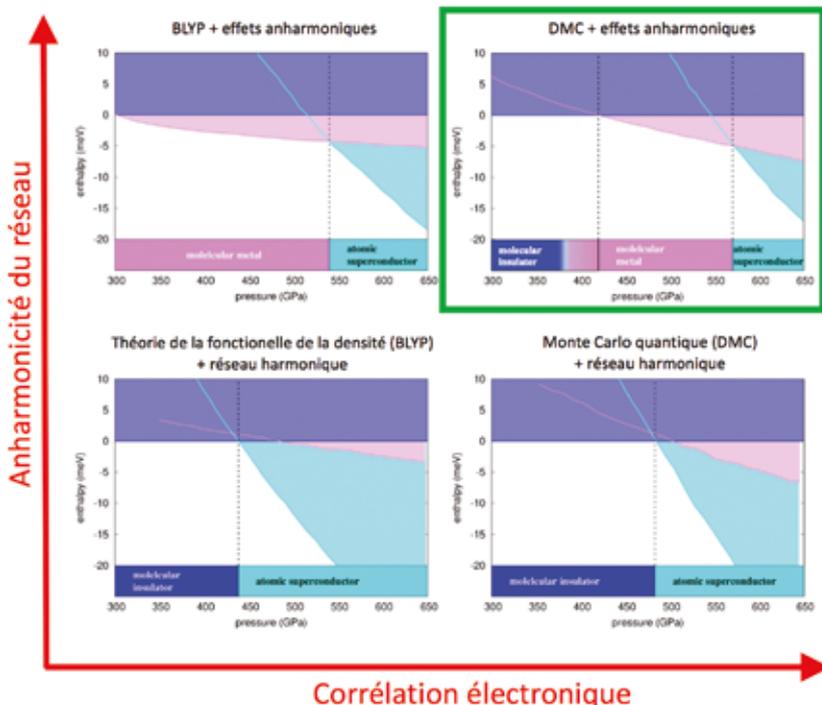
Diagramme de phase quantique de l'hydrogène à haute pression

Le défi relevé dans ce projet est constitué par l'inclusion à la fois de la corrélation électronique et des effets quantiques nucléaires et anharmoniques dans la description de la phase solide de l'hydrogène à haute pression.

Au-dessus d'une certaine pression, l'hydrogène est censé devenir un supraconducteur à haute température critique. Nous avons calculé son diagramme de phase et celui du deutérium à basses températures et hautes pressions ($P > 300$ GPa), en prenant en compte des valeurs de corrélation électronique très précises, évaluées par des techniques dites de Monte Carlo quantique, et en même temps les vibrations anharmoniques quantiques du réseau, évaluées par l'approximation harmonique auto-cohérente. Nos prédictions montrent que la phase moléculaire III, isolante jusqu'à 380 GPa, se transforme dans une phase moléculaire métallique (VI) à 422 (+/- 40) GPa, puis dans la phase atomique supraconductrice à des pres-

sions aussi élevées que 577 (+/- 10) GPa. Les pressions de transition augmentent respectivement de 30 GPa et 63 GPa si l'hydrogène est remplacé par du deutérium. Nos résultats confirment que la phase trouvée au-dessus de 425 GPa [P. Loubeyre, F. Occelli, P. Dumas, *Nature* 577, 631 (2020)] est un mauvais métal moléculaire. En effet, pour la phase atomique qui devrait héberger la supraconductivité à température ambiante, nos données suggèrent des pressions de transition beaucoup plus élevées que celles prédites théoriquement auparavant ou atteintes jusqu'à présent expérimentalement.

Pour arriver à ces prédictions, nous avons dû réaliser des simulations de Monte Carlo quantique pour la partie électronique qui nécessitent une extrapolation très précise à la limite thermodynamique, particulièrement sensible dans les phases métalliques. Nous avons donc effectué des calculs de très grande taille, contenant jusqu'à 1024 atomes. Les ressources de calcul mises à disposition par l'appel Grands Challenges 2020 ont été essentielles pour atteindre ces tailles et résoudre le diagramme de phase de l'hydrogène solide à haute pression.



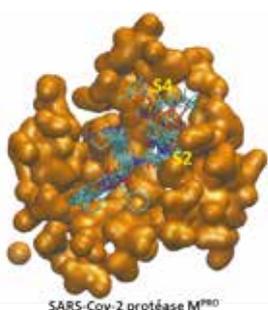
Luigi Genovese ^[1],
Michel Masella ^[2]

[1] CEA-Grenoble/Institut IRIG,
[2] CEA-Saclay/institut Joliot

Etude des facteurs favorisant l'interaction SARS-CoV-2/inhibiteurs

Le code de structure électronique fondé sur les ondelettes, BigDFT, permet aux calculs de varier linéairement avec le nombre d'atomes, contrairement aux codes habituels qui ont un comportement cubique.

Grâce à ses caractéristiques uniques, la description complète de la mécanique quantique des protéines (solvatées) est accessible jusqu'à des systèmes de dizaines de milliers d'atomes.



SARS-Cov-2 protéase M^{pro}

Associé à un code de dynamique moléculaire, Polaris, BigDFT a été appliqué avec succès à des problèmes de biologie moléculaire, notamment dans le cadre du virus COVID, en permettant d'identifier les fragments actifs d'une protéine en présence d'une

molécule cible et de fournir les paramètres clés pour leur modélisation.

Cette méthode d'investigation est complètement générale et offre une nouvelle approche pour l'étude de systèmes biologiques.

Le ciblage d'anticorps monoclonaux spécifiques peut être réalisé de façon routinière, cependant augmenter l'affinité de l'antigène autant que souhaité reste une tâche difficile.

La plupart des outils théoriques disponibles dans ce domaine se concentrent principalement sur l'étude des régions locales anticorps/antigène (AA) à contact étroit et ignorent généralement l'effet sur l'affinité des domaines plus éloignés.

En raison de la taille des assemblages AA, seuls les champs de force standard de modélisation moléculaire par paire ou les fonctions de coût empiriques sont utilisés pour quantifier la force de leurs interactions.

Cependant, ces approches théoriques sont connues pour être fondées sur des approximations grossières empêchant d'atteindre un niveau de précision suffisamment élevé.

Notre projet, récompensé par un SANOFI iTech Award 2020, ajoute deux nouvelles étapes aux protocoles de calcul standard utilisés pour modéliser les assemblages AA (comme le populaire protocole basé sur le paquet de programmes Rosetta) afin d'évaluer et de raffiner leurs solutions.

Ces deux étapes consistent à :

- étudier la surface d'énergie potentielle des AA à partir de simulations de dynamique moléculaire «Replica Exchange» basées sur une approche de modélisation moléculaire multi-échelle polarisable.
- affiner les résultats de la simulation en utilisant le cadre de réduction de la complexité de BigDFT, qui permet de calculer l'énergie d'interaction quantique des assemblages AA complets.

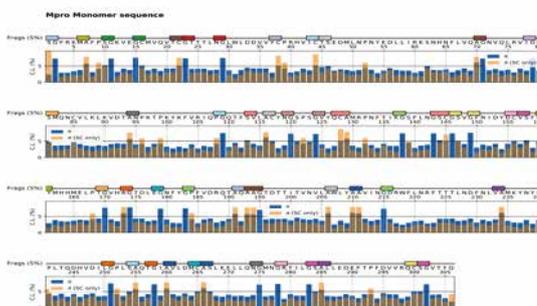
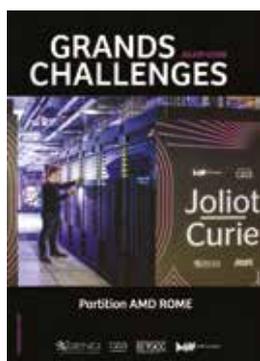


Figure : analyse en fragment d'une molécule avec indication des fragments actifs basé sur un notebook jupyter en python pour une automatisation du post-traitement





GENCI adresse ses remerciements au CEA, aux chercheurs et aux scientifiques qui ont contribué à la rédaction de cette Revue Grands Challenges.

Directeur de la publication : Philippe LAVOCAT - Coordination : Nicolas BELOT (GENCI) / Stéphanie COLLEVILLE (CEA). Conception et réalisation : backdrop - Impression : Welcom - Photos : © CEA, © P. Stroppa, © DR.

GENCI - 6bis, rue Auguste Vitu - 75015 Paris - France. Tél. : +33 1 42 50 04 15
www.genci.fr

© GENCI - janvier 2022.

